

Prueba Trioplex RCP-TR en tiempo real

Centros para el Control y la Prevención de
Enfermedades

**Para usar solamente conforme a
una autorización de uso de
emergencia**

Indicaciones para el uso

Índice

<i>Introducción</i>	3
<i>Especímenes</i>	4
<i>Equipos e insumos</i>	6
<i>Control de calidad</i>	8
<i>Extracción de ácido nucleico</i>	10
<i>Algoritmo de pruebas</i>	18
<i>Prueba RT-PCR en tiempo real</i>	19
<i>Interpretación de resultados de las pruebas</i>	28
<i>Limitaciones de las pruebas</i>	34
<i>Características de desempeño</i>	35
<i>Notas sobre el procedimiento</i>	59
<i>Referencias</i>	59
<i>Apéndice A: Programación de QuantStudio™ Dx</i>	61

PROPÓSITO

Este documento describe el uso de las pruebas RT-PCR en tiempo real (TaqMan®) para la detección y diferenciación del ARN de los virus del dengue, chikunguña y Zika en el suero, la sangre total (EDTA), el líquido cefalorraquídeo (LCR) y para la detección del ARN del virus del Zika en la orina y el líquido amniótico. Este protocolo se ha diseñado para facilitar la detección simultánea de la presencia de los virus del dengue, chikunguña y Zika, utilizando una única muestra.

NOTA: En esta prueba (Triplex RT-PCR en tiempo real), los análisis para los virus del dengue (VDEN), chikunguña (CHIKC) y Zika (VZIK) se realizan en la misma placa de pocillos de RT-PCR (multiplex). También se presenta una opción de reacción singleplex para el uso de la prueba de VZIK de orina y líquido amniótico además de pruebas de VZIK, VCHIK y VDEN en otros tipos de muestras para laboratorios que prefieren incluir solo un set de cebador/sonda por placa de pocillos (ver las NOTAS en la sección prueba RT-PCR en tiempo real, página 19, para más detalles).

USO PREVISTO

La prueba Triplex RT-RCP en tiempo real (Triplex rRT-PCR) tiene como objetivo la detección y diferenciación cualitativas del ARN de los virus del dengue, chikunguña y Zika, en sueros, sangre total (EDTA) o líquido cefalorraquídeo humanos (cada uno obtenido con el espécimen de suero coincidente de un paciente), y para la detección cualitativa del ARN del virus del Zika en la orina y el líquido amniótico (cada uno obtenido con el espécimen de suero coincidente de un paciente). La prueba se ha concebido para utilizarse con los especímenes obtenidos de personas que cumplen los criterios clínicos de los CDC para el virus del Zika (p. ej., síntomas y signos clínicos asociados a la infección por el virus del Zika) y/o los criterios epidemiológicos de los CDC para el virus del Zika (p. ej., antecedentes de haber vivido en, o viajado a, un área geográfica con transmisión activa del zika en el momento del viaje, u otros criterios epidemiológicos para los que se pueda indicar la prueba para el virus del Zika como parte de una investigación de salud pública). Las pruebas se realizan en laboratorios calificados, designados por los Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades (CDC, por sus siglas en inglés).

Los resultados de las pruebas se utilizan para la identificación del ARN viral del zika, dengue y chikunguña. El ARN del virus del Zika se detecta generalmente en suero, sangre total y/u orina, durante la fase aguda de la infección y hasta 14 días después de la aparición de los síntomas, en caso de presentarse. Los resultados positivos indican la presencia de infección actual. Los laboratorios tienen la obligación de reportar todos los resultados a las autoridades de salud pública correspondientes. En los Estados Unidos y sus territorios, los resultados deben reportarse a los CDC.

Los resultados de Trioplex RCP-TR negativos no descartan las infecciones por los virus del dengue, chikunguña y/o Zika y no se deben utilizar como el único elemento para la toma de decisiones en cuanto al manejo de los pacientes. Los resultados negativos deben combinarse con las observaciones clínicas, los antecedentes del paciente y la información epidemiológica.

El Trioplex RCP-TR se ha concebido para ser utilizado por personal de laboratorio capacitado, que sea competente en la realización de pruebas RCP-TR en tiempo real. La prueba solo debe utilizarse según la autorización de uso de emergencia de la Administración de Alimentos y Medicamentos.

LIMITACIONES PARA EL USO DEL PROTOCOLO

La prueba Trioplex RCP-TR en tiempo real que aquí se describe no ha sido probada extensamente con especímenes clínicos. No se permiten modificaciones de estas pruebas (es decir, el uso de instrumentos de PCR o sustancias químicas diferentes de los que se describen). Estas pruebas no deben publicarse sin el consentimiento explícito de los CDC.

PRINCIPIO DE LA PRUEBA

La prueba Trioplex RT-PCR en tiempo real incluye las sondas de hidrólisis (Taqman®) de cebadores y doble etiquetado a utilizarse en la detección cualitativa *in vitro* del ARN del virus del Zika, aislado de especímenes clínicos donde se incluyen el suero (de los tubos con separador para suero), la sangre total (EDTA), el LCR, la orina y el líquido amniótico. Un paso de transcripción inversa produce ADNc del ARN presente en la muestra. La sonda se une al ADN diana entre los dos cebadores de RCP sin etiquetas. Para la sonda específica para el virus del dengue, la señal del colorante fluorescente (FAM) en el terminal 5' se inhibe mediante BHQ-1 en su terminal 3'. Para la sonda específica para el virus chikunguña, la señal del colorante fluorescente (HEX) en el terminal 5' se inhibe por BHQ-1 en su terminal 3'. Para la sonda específica para el virus del Zika, la señal del colorante fluorescente (CAL Fluor Red 610) en el terminal 5' se inhibe por BHQ-2 en su terminal 3'. Durante la RCP, la polimerasa Taq extiende los cebadores sin etiquetas utilizando la cadena modelo como guía, y cuando alcanza la sonda, se divide en esta separando el colorante del inhibidor, lo que permite la fluorescencia. El instrumento de RCP en tiempo real detecta esta fluorescencia del colorante no inhibido. Con cada ciclo de RCP, más sondas se dividen, lo que provoca un aumento de la fluorescencia, la cual es proporcional a la cantidad de ácido nucleico diana presente.

Especímenes

ESPECÍMENES ACEPTABLES

Pruebas para los virus del Zika, chikunguña y dengue:

- Suero (recolectarse en un tubo separador de suero)
El tubo debe centrifugarse antes del envío para evitar la hemólisis.
- Sangre total (EDTA)
- Líquido cefalorraquídeo

Solo para las pruebas del zika:

- Orina
- Líquido amniótico

NOTA: El suero es el espécimen de diagnóstico por excelencia. La sangre total (EDTA), el LCR, la orina y el líquido amniótico solo pueden analizarse cuando se envían junto con el espécimen de suero coincidente de un paciente.

MANIPULACIÓN Y ALMACENAMIENTO DE LOS ESPECÍMENES

- Al transportar especímenes humanos, cerciórese que se cumplen todas las normas aplicables para el traslado de especímenes biológicos potencialmente infecciosos.
- Siempre que sea posible, transportar/enviar especímenes humanos de suero, orina, LCR y líquido amniótico en hielo seco; aunque se acepta el uso de bolsas de hielo.
- Almacenar los especímenes de suero, orina, LCR y líquido amniótico a $\leq -20^{\circ}\text{C}$ al recibirlos. Descongelar la muestra y mantenerla en hielo durante su procesamiento. Mantener el resto de la muestra a $\leq -70^{\circ}\text{C}$ para su almacenamiento a largo plazo.
- Transportar/enviar los especímenes humanos de sangre total (EDTA) con bolsas de hielo.
- Almacenar los especímenes humanos de sangre total (EDTA) entre 2 y 8°C al recibirlos. Se recomienda la realización de las pruebas dentro del período de una semana a partir de la recolección.

SEGURIDAD/PRECAUCIONES

Las directrices de bioseguridad en los laboratorios para trabajar con los especímenes del virus del Zika están disponibles en <http://espanol.cdc.gov/zika/laboratories/lab-safety.html>. Se recomienda a los laboratorios realizar una evaluación de riesgos al hacer nuevas pruebas; y las precauciones de seguridad deberían basarse en la evaluación de riesgos del laboratorio. Los virus del dengue y del Zika se consideran microbios patógenos con los que se puede trabajar de forma segura en un laboratorio de nivel 2 de bioseguridad (BSL-2); sin embargo, según las directrices de Bioseguridad en los laboratorios microbiológicos y biomédicos (BMBL, por sus siglas en inglés), los especímenes con sospecha de contener el virus chikunguña deben manipularse bajo las condiciones de BSL-3:

<http://www.cdc.gov/biosafety/publications/bmbl5/index.htm>.

Este procedimiento debe realizarse teniendo en cuenta la posible naturaleza infecciosa de los especímenes involucrados. El protocolo tiene la intención de detectar los genomas virales; por tanto, se asume que los especímenes contienen el virus. Los trabajadores del laboratorio deben reconocer que este virus produce altos niveles de viremia y los especímenes de casos sospechosos de virus del chikunguña deben tratarse como potencialmente infecciosos. Consulte las directrices de los CDC para laboratorios de salud pública estatales y locales:

<http://espanol.cdc.gov/zika/laboratories/lab-safety.html>. Consulte BMBL para obtener más información sobre bioseguridad relacionada con estos virus y las prácticas de bioseguridad en los laboratorios.

Se recomienda la utilización de batas desechables, guantes, lentes de protección adecuados y un gabinete de seguridad biológica para la manipulación de los especímenes clínicos. La prueba rRT-PCR debe realizarse en un local separado, que se considere libre de los virus del dengue (VDEN), chikunguña (VCHIK) y Zika (VZIK), o de las plantillas de ARN y ADN de cualquier otro virus. Del mismo modo, el procedimiento de extracción del ARN debe realizarse en un local que no sea en el que se amplifique el ARN mediante la RCP-TR. Durante los pasos de amplificación del ácido nucleico, las secciones de genomas virales se amplifican, por lo que las muestras de suero originales y las muestras de prueba deben mantenerse fuera de la sala de la RCP para evitar la contaminación de las muestras.

Equipo e insumos

DESCARGO DE RESPONSABILIDAD: Los nombres de los proveedores o fabricantes se proporcionan como ejemplos de fuentes de productos adecuadas. El uso de nombres comerciales es con fines de identificación solamente y no implica la aprobación por parte de los CDC ni del Departamento de Salud y Servicios Humanos.

MATERIALES PROPORCIONADOS POR LOS CDC

- Set de cebadores y sondas de la prueba Trioplex RCP-TR en tiempo real de los CDC (CDC; catálogo #KT0166). Remítase al prospecto del producto para conocer la información de almacenamiento y caducidad. El set incluye 4 ampollas con el cebador y las sondas para cada agente combinado en un frasco.
 - 1 ampolla, VDEN-F, VDEN-R1, VDEN-R2 y P
 - 1 ampolla, VCHIK-F, R y P
 - 1 ampolla, VZIK-F, R y P
 - 1 ampolla, RP-F, R y P (este es un set de cebador/sonda para la ARNsa P humana y se utiliza para verificar una extracción exitosa)
- Set de control positivo de la prueba Trioplex RCP-TR (CDC; catálogo #KT0167)
 - Control positivo (CP) del VDEN: Virus del dengue inactivo
 - Control positivo (CP) del VCHIK: Virus del chikunguña inactivo
 - Control positivo (CP) del VZIK: Virus del Zika inactivo
 - Control de espécimen humano (HSC): control positivo y control de extracción para RP

MATERIALES NECESARIOS PERO QUE NO SE PROPORCIONAN

- Kits de extracción de ARN (se puede utilizar cualquiera de los siguientes- consultar la sección Extracción de ácido nucleico para conocer los detalles sobre los kits a utilizar con cada instrumento y tipo de espécimen):
 - Kit de aislamiento de ácido nucleico total MagNA Pure LC (192 reacciones) (Roche, catálogo #03038505001)
 - Kit de AN y ADN de volumen pequeño MagNA Pure 96 (Roche, catálogo #06543588001)
 - Kit para volúmenes grande de AN viral y ADN MagNA Pure 96 (Roche, catálogo #6374891001)
 - Kit de aislamiento de ácido nucleico MagNA Pure Compact I (Roche, catálogo #03730964001)

- Kit de aislamiento de ácido nucleico MagNA Pure Compact I - para gran volumen (Roche, catálogo # 03730972001)
- componentes de la extracción automática NucliSENS easyMAG de bioMérieux:
Nota: A los CDC se les ha informado sobre el retiro de un producto del mercado para determinados lotes de reactivos de extracción easyMAG. Aunque los CDC no han experimentado ninguna variación en los resultados asociada al uso de estos reactivos, los CDC no han evaluado de forma extensiva el impacto de dichos productos en la ejecución de easyMAG para la extracción del ARN del zika para pruebas posteriores con Trioplex rRT-PCR. Los laboratorios deben remitirse a los Avisos de Corrección de Seguridad de los productos bioMérieux para consultar el listado de lotes afectados y los consejos para los usuarios finales. Cada lote de reactivos afectados debe evaluarse al menos una vez por semana, antes de utilizarlo en la extracción de especímenes diagnósticos.

Los laboratorios también deben monitorear estrechamente cualquier tendencia en los valores Ct de los Controles positivos externos y los controles HSC durante el ensayo.

- Sílice magnética easyMAG (bioMérieux, catálogo # 280133)
- Desechables easyMAG (bioMérieux, catálogo # 280135)
- Amortiguador 1 easyMAG (bioMérieux, catálogo # 280130)
- Amortiguador 2 easyMAG (bioMérieux, catálogo # 280131)
- Amortiguador 3 easyMAG (bioMérieux, catálogo # 280132)
- Amortiguador de lisis easyMAG (bioMérieux, catálogo # 280134)
- Mini-kit de ARN viral Qiagen QIAamp® (Qiagen, catálogo # 52904 o 52906)
- Mini-kit de ARN viral Qiagen QIAamp® DSP (Qiagen, catálogo # 61904)
- Kits mixtos Master de RCP-TR (se puede utilizar cualquiera):
 - Kit de qRT-PCR de un paso SuperScript® III Platinum® (ThermoFisher, catálogo científico # 11732088 y/o 11732020)
 - Kit de RCP-TRq en un solo paso qScript™, Low Rox™ (Quanta, catálogo # 95059-050 y/o 95059-200)
- Agua de grado molecular, libre de nucleasa

EQUIPOS

- Instrumento de RCP en tiempo real Applied Biosystems 7500 Fast Dx (ThermoFisher Scientific; catálogo #446985 o #4406984);
- Instrumento de PCR en tiempo real QuantStudio™ Dx (QSDx) con 96 bloques de pocillos rápidos (ThermoFisher Scientific; catálogo #4480299);
- Kit de calibración, 96 bloques de pocillos rápidos (ThermoFisher Scientific; catálogo #4432563)
- Kit de calibración de fondo y ROI, con bloque rápido de 96 pocillos (ThermoFisher Scientific; catálogo #4432638)
- Kit II de calibración espectral de los sistemas Fast 7500 de PCR en tiempo real (ThermoFisher Scientific; catálogo #4362201)
- Mezclador Vortex

- Microcentrífuga
- 96 bloques de pocillos fríos (o hielo)
- Micropipetas (2 o 10 µL, 20 µL, 200 µL y 1000 µL)
- Micropipetas multicanales (5-50 µL)
- Instrumentos de extracción de ARN automáticos (opcional):
 - Instrumento MagNA Pure LC 2.0 (Roche, catálogo # 05197686001)
 - Instrumento MagNA Pure 96 (Roche, catálogo # 5195322001)
 - Instrumento MagNA Pure Compact (Roche, catálogo # 03731146001)
 - NucliSENS easyMAG bioMérieux (bioMérieux, catálogo # 280140)

INSUMOS

- Descontaminantes de superficies aceptados
 - DNA Away (Fisher Scientific; catálogo # 21-236-28)
 - RNase Away (Fisher Scientific; catálogo # 21-236-21) Este producto elimina RNasa y ADN.
 - Lejía al 10 % (dilución 1:10 de lejía hipoclorada comercial 5.25-6.0 %)
 - DNAZap™ (ThermoFisher Scientific; cat. #AM9890) o equivalente.
- Guantes desechables de látex y batas desechables
- Rotuladores de laboratorio
- Puntas de pipeta esterilizadas con filtro de aerosol para P2/P10, P40, P200, y P1000
- Tubos de microcentrífuga de 1.5 mL
- Gradillas para tubos de microcentrífuga de 1.5 mL
- Placas de reacción de RCP de 0.1 mL (ThermoFisher Scientific; catálogo #4346906 o #4366932) tapones ópticos (Applied Biosystems; catálogo #4323032)
- Kit de película adhesiva óptica MicroAmp® (ThermoFisher Scientific, catálogo # 4311971 o #4360954)

Control de calidad

La RCP-TR en tiempo real es un método sensible y debe utilizarse siguiendo estrictamente los procedimientos de control y garantía de calidad. Cumplir con estas directrices ayudará a minimizar la posibilidad de obtener resultados falsos negativos y falsos positivos.

CONSIDERACIONES GENERALES

- El personal debe estar familiarizado con el protocolo y los instrumentos que se utilizan.
- Preservar áreas separadas, equipo médico de uso exclusivo (p. ej., pipetas, microcentrífugas) y suministros (p. ej., tubos de microcentrífugas, puntas de pipeta, batas y guantes) para
 - disposición de reactivos para la prueba
 - manipulación de los ácidos nucleicos extraídos
 - Amplificación de RCP-TR en tiempo real
- El flujo de trabajo tiene siempre que proceder unidireccionalmente del área de extracción de ARN/preparación del reactivo (área limpia) a la sala de amplificación de la RCP ("área

sucia") para evitar la contaminación de las muestras clínicas con los ácidos nucleicos amplificados.

- Usar batas desechables limpias, que no hayan sido utilizadas previamente, y guantes nuevos sin polvo durante el ajuste del reactivo de la prueba y la manipulación de los ácidos nucleicos extraídos. Cambiarse los guantes cada vez que sospeche que pueden estar contaminados.
- Almacenar los cebadores/sondas y la mezcla maestra de enzimas a la temperatura adecuada (ver prospectos). No usar los reactivos que ya han vencido.
- Mantener los tubos de los reactivos y las reacciones tapados lo más que pueda.
- Usar DNAZap™ (o equivalente) o lejía al 10 % recién preparada para limpiar las superficies.
- No traer ácido nucleico extraído o material amplificado de la RCP al área de preparación de la prueba.
- Usar solamente puntas de pipetas con barrera (filtro) para aerosoles.

CONTROLES DE LA PRUEBA

Los controles de la prueba deben realizarse al mismo tiempo que todas las muestras de la prueba.

Control de la extracción

El control de espécimen humano (HSC, por sus siglas en inglés) es material de células humanas cultivado no infeccioso utilizado como control de extracción y control positivo para el set de cebador y sonda de RNasa P (RP) que se **extrae al mismo tiempo** que las muestras de ensayo y se incluye como muestra durante la configuración de la rRT-PCR. El HSC debe generar resultados negativos con los sets de cebador y sonda de VDEN, VCHIK y VZIK, pero debe ser positivo para RP. El HSC forma parte del set de control positivo de la Trioplex RCP-TR (CDC; catálogo #KT0167).

Controles positivos para los sets de cebador y sonda específicos del agente

- CP DEL VDEN: Virus del dengue inactivo
- CP DEL VCHIK: Virus del chikunguña inactivo
- CP DEL VZIK: Virus del Zika inactivo

Estos componentes del set de control positivo de la Trioplex RCP-TR (CDC; catálogo #KT0167) deben extraerse usando uno de los métodos de extracción de ARN aceptados, aquí descritos. Las alícuotas del ácido nucleico extraído deben ser almacenadas a $\leq -20^{\circ}\text{C}$ hasta su uso. Evite congelar y descongelar reiteradas veces.

Nota: Al extraer el material de control positivo, se deben tomar medidas preventivas para evitar la contaminación cruzada. Abrir con cuidado los frascos que contienen el virus inactivo. Cambiar o descontaminar los guantes entre un frasco y otro. Se deben tomar medidas preventivas similares al manipular el material de control positivo extraído.

Set de cebador y sonda de RNasa P (RP)

Las muestras clínicas y el HSC deben analizarse en busca del gen RNasa P humano (usando el set de cebador y sonda RP incluido en el kit de Trioplex RCP-TR) para controlar la calidad del

espécimen y como indicador de que el ácido nucleico se obtuvo del proceso de extracción. El set de cebadores y sondas RNasa P forma parte del set de cebador y sonda de la Trioplex RCP-TR en tiempo real (CDC; catálogo #KT0166).

Control sin plantilla (NTC, por sus siglas en inglés)

Las reacciones NTC incluyen agua de grado RCP en lugar del ARN del espécimen y debe incluirse en cada mezcla de reacción (uno para la reacción de VZIK, VCHIK y VDEN y uno para la reacción RP) en cada ejecución. El NTC es un control para la contaminación o función indebida de los reactivos de la prueba que provoca resultados falsos negativos.

Tabla 1: Visión general de los controles positivos y negativos

Tipo de control	Nombre del control	Usado para monitorear	VDEN	VCHIK	VZIK	RP	Valores C _T esperados
Positivo	CP DEL VDEN	Fallo sustancial del reactivo, incluida la integridad del cebador y la sonda.	+	-	-	N/A	< 38 C _T
	CP DEL VCHIK		-	+	-	N/A	
	CP DEL VZIK		-	-	+	N/A	
Negativo	NTC	1) Contaminación del reactivo y/o medioambiental durante la configuración de la PCR y 2) función del set de cebador y sonda.	-	-	-	-	Ninguno detectado
Extracción	HSC	1) Contaminación del reactivo y/o medioambiental durante la extracción y 2) extracción exitosa.	-	-	-	+	Ninguno detectado para VDEN, VCHIK y VZIK.
							RP C _T < 38

Extracción de ácido nucleico

Notas sobre la extracción

- Las extracciones de muestras tienen que producir un volumen de ARN o ácido nucleico total suficiente para cubrir todas las pruebas de RT PCR en tiempo real.
- Suero, orina, LCR y líquido amniótico: se prefieren opciones de extracción de gran volumen (volumen de llenado de 1 mL) para estos especímenes ya que producen más ácido nucleico que las contrapartes de volumen estándar. Las extracciones de pequeño volumen solo se deben utilizar para estos tipos de especímenes si el volumen de muestra es insuficiente para realizar una extracción de gran volumen o si no está disponible la opción de gran volumen.
- Nota:** No se han añadido las opciones de extracción de gran volumen para las extracciones manuales o para el instrumento MagNA Pure LC 2.0, ya que aún no están disponibles los datos que demuestran mayor sensibilidad con la extracción de gran

volumen. Solo los especímenes extraídos aceptados que utilizan uno de los métodos de extracción prescritos pueden analizarse con esta prueba (consultar la tabla Resumen de Opciones del kit de extracción, tabla 2 a continuación).

- El HSC debe incluirse en cada ciclo de extracción como control de extracción de la muestra. Para los métodos de extracción de gran volumen (volumen de llenado de 1 mL), se deben añadir 800 µL de agua en grado PCR a 200 µL de HSC re-suspendido para obtener 1 mL de muestra de HSC para la extracción.
- Mantener los extractos de ARN del espécimen en un bloque frío o en hielo hasta que se analicen. Si la prueba se tardará más de 24 horas, congelar el ARN a $\leq -20^{\circ}\text{C}$, inmediatamente después de la extracción.

Tabla 2: Resumen de las Opciones del kit de extracción

Instrumento de extracción	Kits autorizados para cada tipo de espécimen			
	Gran volumen de suero, orina, LCR y líquido amniótico (preferido)	Pequeño volumen de suero y orina	Pequeño volumen de sangre total	Pequeño volumen de LCR y líquido amniótico
Manual (sin instrumento)	Ninguno	Mini-kit de ARN viral QIAamp o mini-kit de ARN viral QIAamp DSP	Ninguno	Mini-kit de ARN viral QIAamp o mini-kit de ARN viral QIAamp DSP
MagNA Pure 96	Kit para gran volumen de AN viral y ADN MagNA Pure 96	Kit para pequeño volumen de AN viral y ADN MagNA Pure 96	Kit para pequeño volumen de AN viral y ADN MagNA Pure 96	Kit para pequeño volumen de AN viral y ADN MagNA Pure 96
MagNA Pure LC 2.0	Ninguno	Kit de aislamiento de ácido nucleico total MagNA Pure LC	Kit de aislamiento de ácido nucleico total MagNA Pure LC	Kit de aislamiento de ácido nucleico total MagNA Pure LC
MagNA Pure Compact	Kit de aislamiento de ácido nucleico MagNA Pure Compact (MPC) I - para gran volumen	Kit de aislamiento de ácido nucleico MagNA Pure Compact I	Kit de aislamiento de ácido nucleico MagNA Pure Compact I	Kit de aislamiento de ácido nucleico MagNA Pure Compact I
easyMAG*	Los reactivos easyMAG se suministran de forma individual - consultar el manual de instrumentos y la sección Equipos e insumos para conocer el listado de reactivos que se requieren para la extracción.	Los reactivos easyMAG se suministran de forma individual - consultar el manual de instrumentos y la sección Equipos e insumos para conocer el listado de reactivos que se requieren para la extracción.	Ninguno	Los reactivos easyMAG se suministran de forma individual - consultar el manual de instrumentos y la sección Equipos e insumos para conocer el listado de reactivos que se requieren para la extracción.

*Debido al retiro de un producto del mercado para determinados lotes de reactivos de extracción easyMAG bioMérieux, cada lote de reactivos afectados debe evaluarse al menos una vez por semana, antes de utilizarlo en la extracción de especímenes diagnósticos. Los laboratorios también deben monitorear estrechamente cualquier tendencia en los valores Ct de los Controles positivos externos y los controles HSC durante el ensayo. Consultar la sección Equipos e insumos para obtener más información.

Extracción manual

Los especímenes de suero, orina, LCR y líquido amniótico pueden extraerse con el mini-kit de ARN viral QIAamp o el mini-kit de ARN viral QIAamp DSP. Siga las instrucciones del fabricante, utilizando los siguientes volúmenes:

Volumen de llenado del espécimen: 140µL

Volumen de elución: 60 µL

Extracción automatizada

- Instrumento MagNA Pure LC 2.0
 - Protocolo para pequeño volumen (suero, orina, LCR, líquido amniótico) para MagNA Pure LC 2.0

El ARN de los especímenes clínicos de suero, orina, LCR y líquido amniótico se puede extraer con el kit de aislamiento de ácido nucleico total para pequeño volumen MagNA Pure LC. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 200 µL

Programa: Volumen de elución variable de AN total

Volumen de elución: 60 µL

O con la opción de lisis externa:

Volumen de llenado del espécimen: mezclar 200 µL del espécimen con 300 µL de amortiguador de lisis para obtener un volumen total de 500 µL, antes de cargar el instrumento.

Programa: Lisis externa de AN total

Volumen de elución: 60 µL

- Protocolo para pequeño volumen (sangre total) para MagNA Pure LC 2.0

El ARN de los especímenes clínicos de sangre total (EDTA) se puede extraer con el kit de aislamiento de ácido nucleico total MagNA Pure LC.

1. Añadir 300 µL de amortiguador de lisis externa LC 2.0 a 200 µL de espécimen de sangre total (EDTA). Agitar en modo alto o incubar a temperatura ambiente durante 15 minutos.
2. Tras la incubación, agitar en modo alto nuevamente y pulsar centrífuga para que el lisado vaya al fondo del tubo. Cargar las muestras en un cartucho de muestra LC 2.0.
3. Cargar la(s) placa(s) de muestra en el instrumento de extracción LC 2.0 y cargar los reactivos del kit para pequeño volumen.
4. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 500 µL
Programa: AN total
Protocolo: Lisis_externa_de_AN_total:
Volumen de elución: 100 µl

- Instrumento MagNA Pure LC 96

- Protocolo para gran volumen (suero, orina LCR y líquido amniótico) para MagNA Pure 96

El ARN de los especímenes clínicos de suero u orina puede extraerse con el Kit para gran volumen de AN viral o ADN MagNA Pure 96. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 1000 µL
Programa: ADN/AN_viral_LV_2.0.
Protocolo: AN_viral_Universal_LV_1000_3.0.1 o 3.1
Volumen de elución: 100 µl

- Protocolo para pequeño volumen (suero, orina LCR o líquido amniótico) para MagNA Pure 96

En caso de no contar con suficiente volumen de espécimen de suero u orina, el ARN de los especímenes clínicos de suero, orina, LCR y líquido amniótico puede extraerse con el Kit para pequeño volumen de AN viral o ADN MagNA Pure 96. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 200 µL
Programa: ADN/AN_viral_SV_2.0.
Protocolo: AN_viral_Universal_SV_3.0 o 3.1
Volumen de elución: 100 µl

O con la opción de lisis externa:

Volumen de llenado del espécimen: mezclar 200 µL del espécimen con 250 µL de amortiguador de lisis MP96 para obtener un volumen total de 450 µL, antes de cargar el instrumento.

Programa: ADN/AN_viral_SV_2.0.
*Protocolo: AN_viral_plasma_lis_ext_SV_3.0 o 3.1
Volumen de elución: 100 µl

* "AN_viral_plasma_lis_ext_SV_3.0" es el título del protocolo del instrumento que no puede modificarse; el término "Plasma" utilizado en el título del programa no implica que el uso del plasma esté autorizado para esta prueba.

- Protocolo para pequeño volumen (sangre total) para MagNA Pure 96

El ARN de los especímenes clínicos de sangre total (EDTA) puede extraerse con el kit para pequeño volumen de AN viral y ADN MagNA Pure 96.

1. Añadir 250 µL de amortiguador de lisis externa MP96 a 200 µL de espécimen de sangre total (EDTA). Agitar en modo alto o incubar a temperatura ambiente durante 15 minutos.
2. Tras la incubación, agitar en modo alto nuevamente y pulsar centrífuga para que el lisado vaya al fondo del tubo. Cargar las muestras en un cartucho de muestra MP96.
3. Cargar la(s) placa(s) de muestra en el instrumento de extracción MP96 y cargar los reactivos del kit para pequeño volumen.
4. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 450 µL
Programa: Kit para ADN/AN_viral_SV_2.0
*Protocolo: AN_viral_plasma_lis_ext_SV_3.0 o 3.1
Volumen de elución: 100 µl

* "AN_viral_plasma_lis_ext_SV_3.0" es el título del protocolo del instrumento que no puede modificarse; el término "Plasma" utilizado en el título del programa no implica que el uso del plasma esté autorizado para esta prueba.

- Instrumento MagNA Pure Compact
 - Protocolo para gran volumen (suero, orina LCR y líquido amniótico) para MagNA Pure Compact

El ARN de los especímenes clínicos de suero u orina puede extraerse con el Kit de aislamiento de ácido nucleico para gran volumen MagNA Pure Compact (MPC) I - kit para gran volumen. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 1000 µL
*Protocolo: AN_total_Plasma_1000_V3_2
Material de muestra: Otros
Volumen de control interno: Ninguno
Volumen de elución: 100 µl

* "AN_total_plasma_1000_V3_2" es el título del protocolo del instrumento que no puede modificarse; el término "Plasma" utilizado en el título del programa no implica que el uso del plasma esté autorizado para esta prueba.

- Protocolo para pequeño volumen (suero, orina LCR y líquido amniótico) para MagNA Pure Compact

El ARN de los especímenes clínicos de LCR y líquido amniótico se puede extraer con el Kit de aislamiento de ácido nucleico para pequeño volumen MagNA Pure

Compact (MPC) I. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 200 µL

*Protocolo: AN_total_plasma_100_400_V3_2

Volumen de elución: 100 µl

* "AN_total_plasma_100_400_V3_2" es el título del protocolo del instrumento que no puede modificarse; el término "Plasma" utilizado en el título del programa no implica que el uso del plasma esté autorizado para esta prueba.

o Protocolo para pequeño volumen (sangre total) para MagNA Pure Compact

El ARN de los especímenes clínicos de sangre total (EDTA) se puede extraer con el kit de aislamiento de ácido nucleico MagNA Pure Compact I.

1. Añadir 200 µL del espécimen de sangre total (EDTA) a 300 µL de amortiguador de lisis externa/unión. Agitar en modo alto, pulsar centrífuga para que el lisado vaya al fondo del tubo e incubar a temperatura ambiente durante 15 minutos.
2. Tras la incubación, agitar en modo alto nuevamente y pulsar centrífuga para que el lisado vaya al fondo del tubo.
3. Cargar los tubos de muestra en el instrumento MPC en la gradilla de muestras.
4. Seguir las instrucciones del fabricante para preparar los reactivos/desechables del instrumento.
5. Al configurar el instrumento para un ciclo de extracción, seleccionar el protocolo para el volumen de llenado del espécimen correspondiente:

Volumen de llenado del espécimen: 500 µL

*Protocolo: AN_total_plasma_lisis_externa_V3_2

Material de muestra: Otros

Volumen de control interno: Ninguno

Volumen de elución: 100 µl

* "AN_total_plasma_lisis_externa_V3_2" es el título del protocolo del instrumento que no puede modificarse; el término "Plasma" utilizado en el título del programa no implica que el uso del plasma esté autorizado para esta prueba.

• Instrumento NucliSENS easyMAG bioMérieux

Nota: A los CDC se les ha informado sobre el retiro de un producto del mercado para determinados lotes de reactivos de extracción easyMAG. Consultar la sección Equipos e insumos para obtener más información.

o Protocolo para gran volumen (suero, orina LCR y líquido amniótico) para NucliSENS easyMAG bioMérieux

El ARN de los especímenes clínicos se puede extraer con los reactivos

NucliSENS easyMAG bioMérieux (Amortiguadores 1-3, amortiguador de lisis, sílice magnética y desechables). Seguir estas configuraciones para el protocolo de lisis manual:

1. Colocar los cartuchos descartables frescos con el código de barras hacia adelante en la estantería transportadora de metal. Cada cartucho contiene 8 pocillos de reacción y el instrumento easyMAG puede procesar un total de 24 reacciones (3 cartuchos) por ciclo de extracción.
2. Pipetear 2 mL de amortiguador de lisis en cada pocillo de reacción del cartucho desechable.
3. Añadir 1000 µL de la muestra clínica en su pocillo respectivo del cartucho desechable.
4. Pipetear hacia arriba y hacia abajo ~5 veces para mezclar.
5. Deje incubar a temperatura ambiente por 10 minutos.
6. Añadir 50 µL de sílice magnética sometida a agitación vorticial en cada pocillo y mezclar ~5 veces con una pipeta de 1 mL.
7. Insertar las puntas y cargar los cartuchos en el instrumento en el orden correcto.

Menú de solicitud de extracción:

Matriz: Otros
Protocolo: Generic 2.0.1
Volumen (mL): 1.0
Eluyente (µL): 100
Tipo: Lisado
Prioridad: Normal

Seguir las instrucciones del fabricante para completar la configuración y el proceso de extracción.

NOTA: Transferir los ácidos nucleicos purificados a los tubos etiquetados previamente dentro de los 30 minutos de finalizada la extracción para evitar la contaminación con la sílice magnética pegada a la pared de los recipientes de muestras. Si las microesferas provocan una contaminación, recolectar todo y colocarlo en otro tubo de 1.7 mL y ubicarlo sobre una estantería magnética para separar las microesferas del eluato. Transferir el eluato limpio a su tubo etiquetado previamente para su almacenamiento.

- Protocolo para pequeño volumen (suero, orina LCR y líquido amniótico) para NucliSENS easyMAG bioMérieux

El ARN de los especímenes clínicos se puede extraer con los reactivos NucliSENS easyMAG bioMérieux (Amortiguadores 1-3, amortiguador de lisis, sílice magnética y desechables). Seguir estas configuraciones para el protocolo de lisis manual:

1. Colocar los cartuchos descartables frescos con el código de barras hacia adelante en la estantería transportadora de metal. Cada cartucho contiene 8 pocillos de reacción y el instrumento easyMAG puede procesar un total de 24 reacciones (3 cartuchos) por ciclo de extracción.
2. Pipetear 2 mL de amortiguador de lisis en cada pocillo de reacción del cartucho desechable.

3. Añadir 200 µL de la muestra clínica en su pocillo respectivo del cartucho desechable.
4. Pipetear hacia arriba y hacia abajo ~5 veces para mezclar.
5. Deje incubar a temperatura ambiente por 10 minutos.
6. Añadir 50 µL de sílice magnética sometida a agitación vorticial en cada pocillo y mezclar ~5 veces con una pipeta de 1 mL.
7. Insertar las puntas y cargar los cartuchos en el instrumento en el orden correcto.

Menú de solicitud de extracción:

Matriz: Otros
Protocolo: Generic 2.0.1
Volumen (mL): 0.2
Eluyente (µL):
Tipo 100: Lisado
Prioridad: Normal

Seguir las instrucciones del fabricante para completar la configuración y el proceso de extracción.

NOTA: Transferir los ácidos nucleicos purificados a los tubos etiquetados previamente dentro de los 30 minutos de finalizada la extracción para evitar la contaminación con la sílice magnética pegada a la pared de los recipientes de muestras. Si las microesferas provocan una contaminación, recolectar todo y colocarlo en otro tubo de 1.7 mL y ubicarlo sobre una estantería magnética para separar las microesferas del eluato. Transferir el eluato limpio a su tubo etiquetado previamente para su almacenamiento.

Almacenamiento de especímenes de ácido nucleico

Mantener los extractos de ARN del espécimen en un bloque frío o en hielo hasta que se analicen.

Si la prueba se tardará más de 24 horas, congelar el ARN inmediatamente a $\leq -20^{\circ}\text{C}$. Solo descongelar el número de extractos de ARN que se analizarán en un día. No congelar o descongelar los extractos de ARN más de una vez antes de las pruebas. Para almacenamientos prolongados, > 7 días, congelar los extractos de ARN a $\leq -20^{\circ}\text{C}$. Los extractos de ARN almacenados a $\leq -20^{\circ}\text{C}$ deben permanecer viables durante 6 meses.

Algoritmo de pruebas

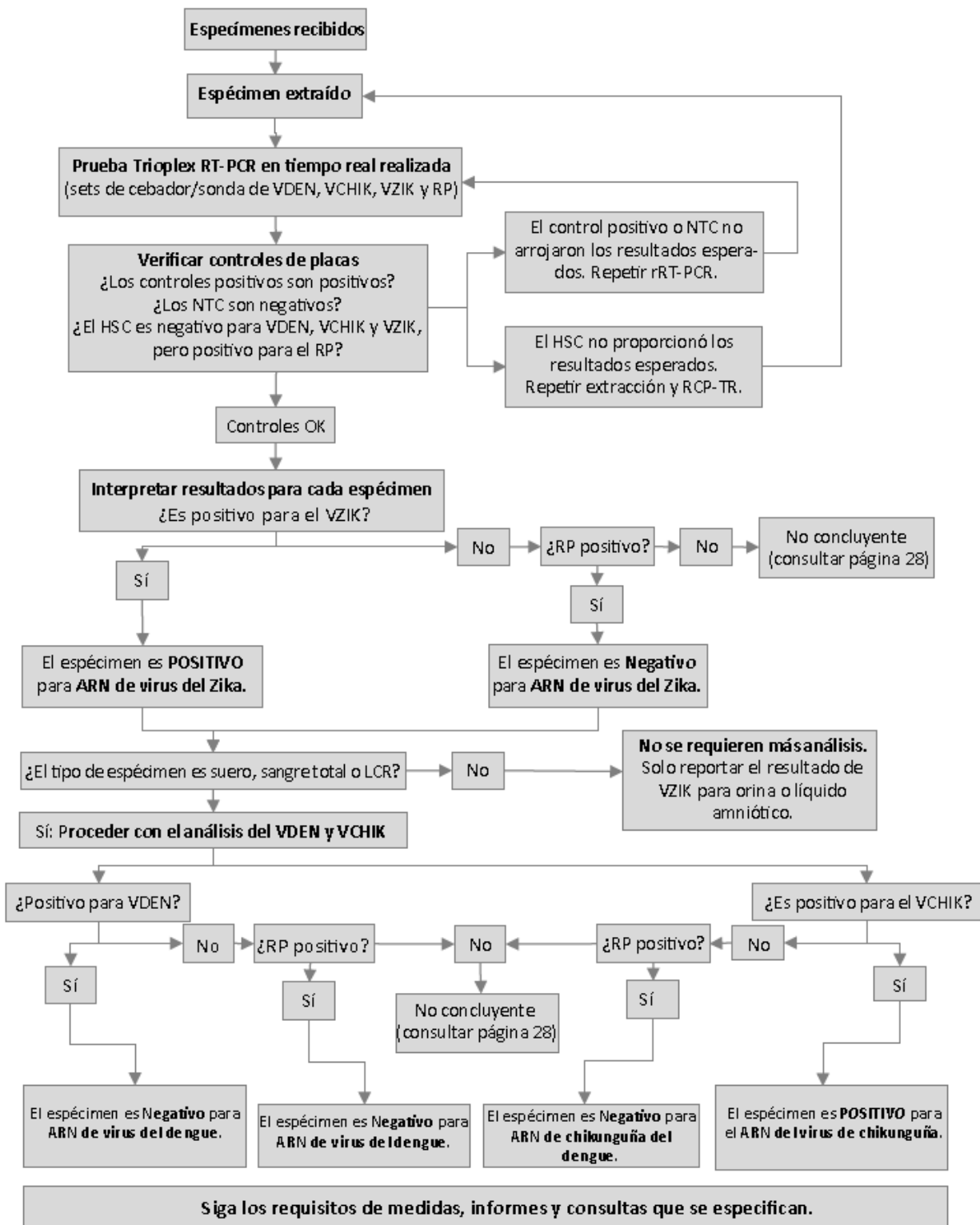


Figura 1: Resumen de la interpretación de los resultados de la prueba

Preparación de los reactivos

1. Preparación de cebadores/sondas en tiempo real

- Antes de la rehidratación, almacenar los kits a 2-8 °C en un lugar oscuro.
- Precauciones: Estos reactivos solo deben manipularse en un área limpia y almacenarse a temperaturas apropiadas (ver a continuación) en un lugar oscuro. Se deben evitar los ciclos de congelación-descongelación. Mantener fríos cuando se descongelen.
- Rehidratar cuidadosamente los reactivos liofilizados en 250 µL de 10 mM Tris, pH de 7.4 a 8.2 o agua de grado RCP (libre de nucleasa) y dejar que se rehidrate durante 15 minutos a temperatura ambiente, en un lugar oscuro.
- Centrifugar cada tubo para obtener una mezcla uniforme y dividir en alícuotas la mezcla de cebador/sonda en volúmenes de 50 µL en 5 tubos preetiquetados.
- Almacenar las alícuotas rehidratadas de cebadores y sondas a -20 °C o menos. No almacenar en neveras que no hacen escarcha.
- Los cebadores y las sondas rehidratados pueden almacenarse congelados hasta 24 meses.
- Las alícuotas descongeladas de cebadores y sondas pueden almacenarse en un lugar oscuro hasta 4 meses a 2-8 °C cuando su uso es frecuente.
- No volver a congelar las alícuotas descongeladas.

Tabla 3: Descripciones de cebadores y sondas

Designación de secuencia	Número de parte	Ubicación del gen
V DEN-F	SO3684	5' -UTR
V DEN-R1		
V DEN-R2		
V DEN-P		
V CHIK-F	SO3685	nSP1
V CHIK-R		
V CHIK-P		
V ZIK-F	SO3686	Gen de la envoltura
V ZIK-R		
V ZIK-P		
RP-F	SO3687	Ribonucleasa P humana
RP-P		
RP-P		

2. Controles de la prueba

- Ácido nucleico extraído del virus del dengue inactivo
- Ácido nucleico extraído del virus del chikunguña inactivo
- Ácido nucleico extraído del virus del Zika inactivo

3. Control sin plantilla (NTC) (no se incluye)

- Agua estéril libre de nucleasa
- Alícuota en volúmenes pequeños
- Utilizado para controlar la contaminación durante la extracción del espécimen y/o la preparación de la placa

4. Control de la extracción de HSC

- El control de espécimen humano debe extraerse y procesarse con cada lote de muestras a analizar, siguiendo el mismo procedimiento que se utiliza con las muestras de pacientes.
- No diluir el ARN extraído antes de la prueba.

5. Mezcla maestra

NOTA: Se puede utilizar el **Sistema de RCP-TR cuantitativo en un solo paso SuperScript® III Platinum®** o el **kit de qRT-PCR en un solo paso qScript™, Low Rox™**.

a. Sistema de qRT-PCR en un solo paso SuperScript® III Platinum®

- Colocar la mezcla maestra de RCP 2X y mezcla de enzima Superscript III RT/Platinum Taq en una estantería fría a 2-8 °C.
- Descongelar completamente el frasco de mezcla maestra de RCP 2X.
- Mezclar invirtiendo 10 veces la mezcla maestra de RCP 2X.

b. Kit de RCP-TRq en un solo paso qScript™, Low Rox™

- Descongelar todos los componentes, excepto el TR en un solo paso qScript, a temperatura ambiente.
- Mezclar vigorosamente.
- Centrifugar para recoger los contenidos en el fondo del tubo antes de usar.
- Coloque todos los componentes en hielo después de descongelar.

Preparación del equipo (instrumento AB 7500 o QuantStudio™ Dx)

- Encender el instrumento y dejar que el bloque alcance la temperatura óptima.
- Preparar el experimento, realizar la configuración de la placa y seleccionar el protocolo de ciclos en el instrumento, ver Tabla 6 para la configuración de la placa de PCR sugerida.
- Para las instrucciones sobre la configuración del ciclo de PCR en el instrumento AB 7500 Fast Dx, vea la sección sobre el ciclo de PCR a continuación.
- Para las instrucciones sobre la programación, calibración y configuración del ciclo de PCR en el instrumento QSDx, vea el Apéndice A.

Configuración de la mezcla maestra y la placa

NOTAS:

- **La configuración de la placa puede variar según el número de especímenes y la organización diaria del trabajo.**
- **Los controles de NTC y pruebas deben incluirse en cada ciclo.**
- **Los laboratorios pueden elegir realizar la prueba Trioplex como reacciones singleplex.**

- **Los especímenes de líquido amniótico y de orina pueden analizarse solo con VZIK como una reacción singleplex.**
 - **Los otros tipos de especímenes deben analizarse con todos los tres sets de cebador y sonda ya sea como reacción multiplex o reacciones singleplex en tres pocillos individuales. Tenga en cuenta que las reacciones singleplex para VDEN y/o VCHIK no deben hacerse solas a ningún tipo de muestra.**
 - **Se deben analizar todos los especímenes mediante RP en cada ciclo de PCR. La prueba de RP siempre se realiza como una reacción singleplex en un pocillo separado de los sets de cebado/sonda Trioplex específicos para virus.**
 - **Las instrucciones para la configuración de la mezcla maestra y de la placa son idénticas para los instrumentos AB 7500 Fast Dx y QuantStudio™ Dx)**
- En la campana limpia de la sala de configuración del reactivo, colocar los cebadores/sondas en hielo o en bloque frío. Mantener frío durante la preparación y el uso.
 - Descongelar la mezcla de la reacción 2X (SuperScript III o qScript), antes de usar.
 - Mezclar los cebadores/sondas centrifugando brevemente.
 - Centrifugar brevemente los cebadores/sondas y colocarlos nuevamente en hielo o bloque frío.
 - Determinar el número de reacciones (N) a establecer por cada prueba. Es necesario hacer mezclas de reacciones en exceso para las reacciones de NTC y para los errores al pipetear (ver Tabla 4).
 - Utilizar la siguiente guía para determinar N:
 - Si el número de muestras (n), incluidos los controles, iguala del 1 al 14, entonces $N = n + 1$
 - Si el número de muestras (n), incluidos los controles, es mayor de 15, entonces $N = n + 2$

Preparar la mezcla de la reacción según las siguientes tablas (**Tablas 4 y 5**).

Mantener la mezcla de la reacción en hielo o bloque frío.

Tabla 4: Mezcla de la reacción de Trioplex RCP-TR

Mezcla de la reacción de TRIOPLEX			
Opción multiplex		Opción singleplex	
Componente	Cantidad/Reacción (µL)	Componente	Cantidad/Reacción (µL)
Agua	N x 0.5 µL	Agua	N x 1,5 µL
Mezcla de la reacción de RCP 2x	N x 12.5 µL	Mezcla de la reacción de RCP 2x	N x 12.5 µL
Mezcla de VDEN	N x 0.5 µL	Mezcla de cebador/sonda (VDEN, VCHIK o VZIK)	N x 0.5 µL
Mezcla de VCHIK	N x 0.5 µL		
Mezcla de VZIK	N x 0.5 µL		
Mezcla de enzima	N x 0.5 µL		
Subtotal	N x 15 µL	Subtotal	N x 15 µL
ARN de muestra	10 µL	ARN de muestra	10 µL (por tubo de reacción)
TOTAL	25 µL	TOTAL	25 µL

NOTA: Los mismos volúmenes de mezcla de reacción pueden utilizarse para el kit SuperScript III o qScript.

Tabla 5: Mezcla de la reacción de RCP-RP

Mezcla de la reacción del control interno de RP	
Componente	Cantidad/Reacción (µL)
Agua	1.5 µL
Mezcla de la reacción de RCP 2x	12.5 µL
Mezcla de RP	0.5 µL
Mezcla de enzima	0.5 µL
Subtotal	15 µL
ARN de muestra	10 µL
TOTAL	25 µL

NOTA: Los mismos volúmenes de mezcla de reacción pueden utilizarse para el kit SuperScript o qScript.

Configuración de la placa de RCP

- En la campana limpia de la sala de configuración del reactivo, mientras se mantiene la placa de PCR en hielo (o bloque frío), añadir 15 µL de mezcla de reacción a los pocillos que se van a utilizar.
- Antes de pasar la placa al área de manipulación del ácido nucleico, añadir 10 µL de agua libre de nucleasa a los pocillos de NTC.
- Aplicar sin sellar las tirillas de tapones ópticos o la cinta óptica a los bordes superiores de los pocillos de reacción y trasladar la placa al área de manipulación del ácido nucleico en hielo o bloque frío.

- d. Retirar las tirillas de tapones ópticos o la cinta óptica y añadir 10 µL de ARN de muestra extraído a cada pocillo de muestra correspondiente. **Cambiar las puntas después de añadir cada muestra.**
- e. **Añadir 10 µL de control positivo de VDEN-1-4, control positivo de VCHIK, control positivo de VZIK y HSC (control positivo de RP) a pocillos separados, como se indica en la Tabla 6.**

Nota: Si se analiza VZIK solo como una reacción singleplex, en como en el caso de especímenes de líquido amniótico u orina, solo se debe incluir en el ciclo el control positivo de VZIK y HSC.

Tabla 6: Ejemplo de la disposición de la placa de Trioplex rRT-PCR para 3 muestras (opción multiplex)

Formato de la mezcla maestra

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	Trioplex	Trioplex	Trioplex	Trioplex	Trioplex							
B	RP	RP	RP	RP	RP							
C												
D												
E												Trioplex
F												Trioplex
G												Trioplex
H												

Formato de la plantilla

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	M1	M2	M3	HSC	NTC H2O							
B	M1	M2	M3	HSC	NTC H2O							
C												
D												
E												CP DEL VDEN
F												CP DEL VCHIK
G												CP DEL VZIK
H												

Controles positivos: E12-H12

- f. Sellar la placa con cinta o tapones ópticos y cargar la placa en el instrumento de RCP en tiempo real Applied Biosystems 7500 Fast Dx.

Ciclo de RCP

NOTA: Las instrucciones para la programación del instrumento QuantStudio™ Dx se encuentran en el apéndice A. Las instrucciones a continuación son para el AB 7500 Fast Dx.

- g. Iniciar el software AB 7500 y seleccionar **Crear nuevo documento**.
- h. Seleccionar **Standard 7500** en el menú Modo de funcionamiento y hacer clic en **Siguiente (Figura 2)**.

Figura 2: Seleccionar modo de funcionamiento

The screenshot shows the 'New Document Wizard' dialog box with the 'Define Document' step selected. The dialog box contains the following fields and options:

- Assay: Standard Curve (Absolute Quantitation)
- Container: 96-Well Clear
- Template: Blank Document (with a 'Browse...' button)
- Run Mode: Standard 7500 (highlighted in blue)
- Operator: fbz3
- Comments: SDS v1.4
- Plate Name: Plate1

At the bottom of the dialog box, there are four buttons: '< Back', 'Next >', 'Finish', and 'Cancel'.

- i. Crear un nuevo detector para cada objetivo haciendo clic en **Nuevo detector (Figura 3)**, nombrar **V DEN**, seleccionar el colorante activador **FAM** y establecer el colorante inhibidor como **ninguno (Figura 4)**.

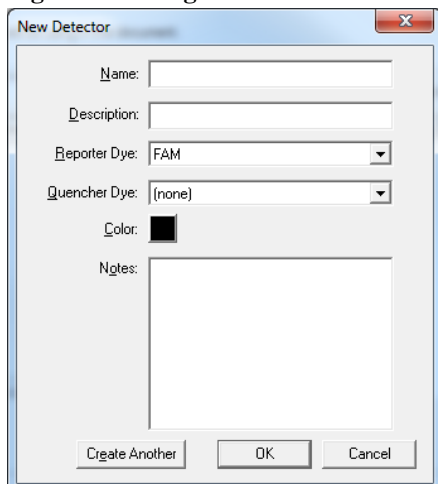
Figura 3: Seleccionar detector

The screenshot shows the 'New Document Wizard' dialog box with the 'Select Detectors' step selected. The dialog box contains the following elements:

- Find: []
- Passive Reference: ROX
- A table with columns: Detector Name, Description, Reporter, Quencher.
- Buttons: Add >> and << Remove.
- A 'Detectors in Document' list box.
- A 'New Detector...' button.

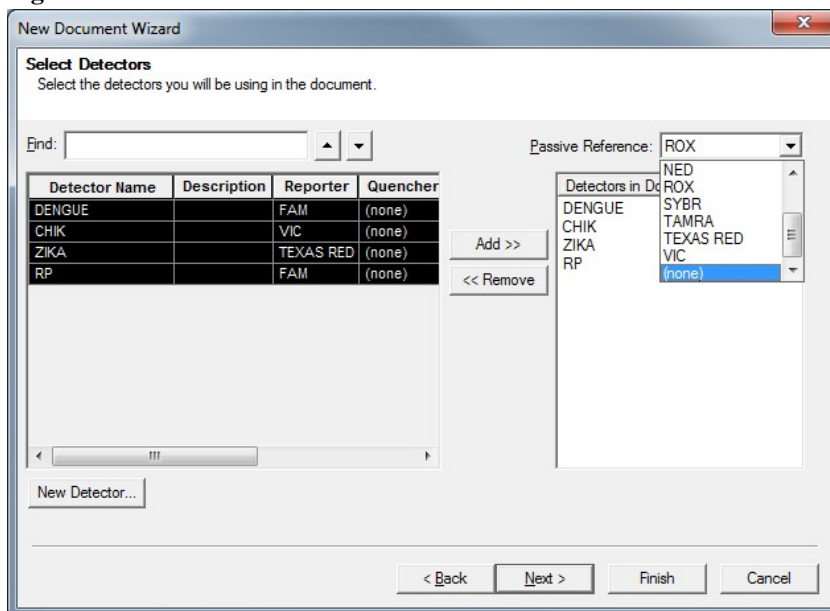
At the bottom of the dialog box, there are four buttons: '< Back', 'Next >', 'Finish', and 'Cancel'.

Figura 4: Configuraciones del activador e inhibidor



- j. Repetir para el VCHIK, seleccionar el colorante activador **VIC** y dejar el colorante inhibidor como **ninguno**.
- k. Repetir para el VZIK, seleccionar el colorante activador **Texas Red** y dejar el colorante inhibidor como **ninguno**.
- l. Repetir para el RP, seleccionar el colorante activador **FAM** y dejar el colorante inhibidor como **ninguno**.
- m. En la pantalla Seleccionar Detectores, seleccione **VDEN** y haga clic en **Añadir**.
- n. Cambiar la Referencia Pasiva de **ROX** a **ninguno** (Figura 5).

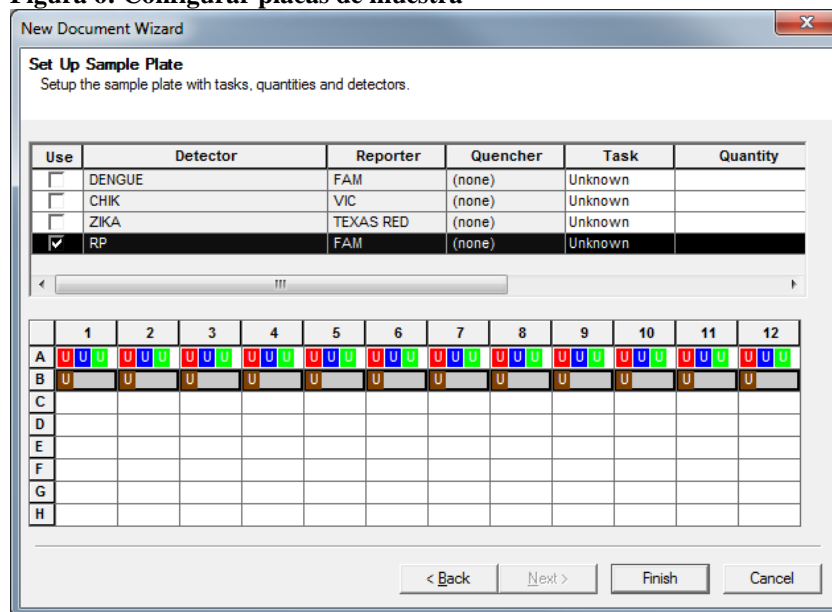
Figura 5: Selección de Referencia Pasiva



- o. En la pantalla Seleccionar Detectores, seleccione **VCHIK** y haga clic en **Añadir**.
- p. Cambiar la Referencia Pasiva de **ROX** a **ninguno**.
- q. En la pantalla Seleccionar Detectores, seleccione **VZIK** y haga clic en **Añadir**.
- r. Cambiar la Referencia Pasiva de **ROX** a **ninguno**.

- s. En la pantalla Seleccionar Detectores, seleccione **RP** y haga clic en **Añadir**.
- t. Cambiar la Referencia Pasiva de **ROX** a **ninguno**.
- u. En la ventana Configuración de la placa de muestra, señalar los pocillos correspondientes y seleccionar los detectores de **VDEN**, **VCHIK** y **VZIK** (**Figura 6**).
Nota: Si se utiliza la opción singleplex, no empleará los tres detectores en todos los pocillos de reacción:
 - Marque los pocillos que contienen reacciones de VDEN y seleccione el detector de VDEN.
 - Marque los pocillos que contienen reacciones de VCHIK y seleccione el detector de VCHIK.
 - Marque los pocillos que contienen reacciones de VZIK y seleccione el detector de VZIK.

Figura 6: Configurar placas de muestra

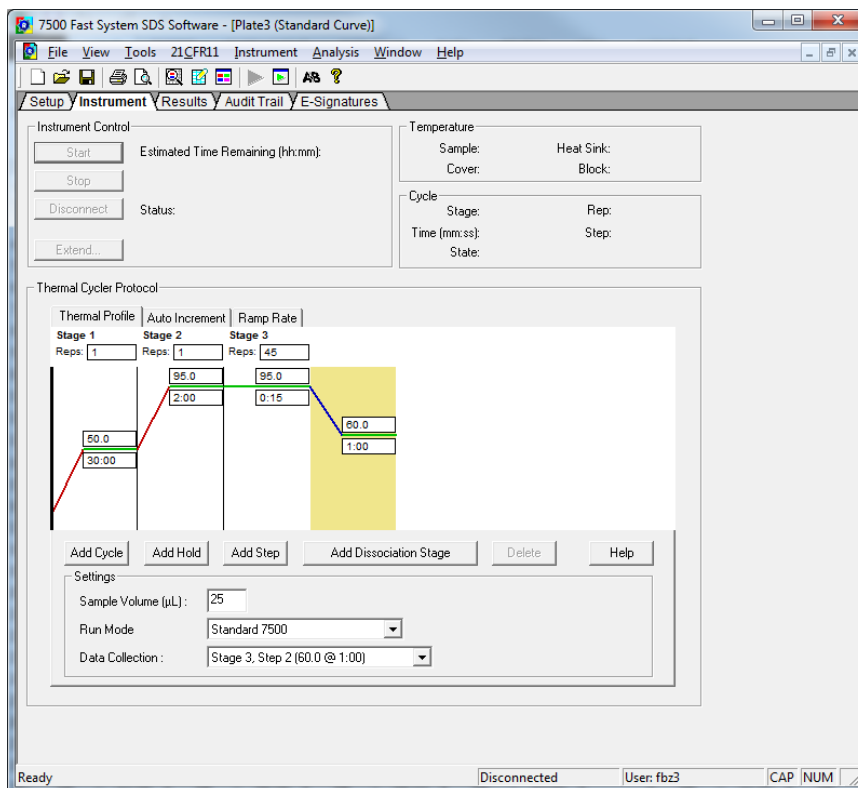


- v. Hacer doble clic en cada pocillo para ingresar el nombre de la muestra.
- w. Seleccionar la pestaña Instrumento y definir las condiciones del termociclador, según la mezcla maestra utilizada:
 - (1) Etapa 1: **30 min.** a **50 °C**; **1 rep.**
 - (2) Etapa 2:
 - SuperScript III: **2 min.** a **95 °C**; **1 rep.**
 - qScript: **5 min.** a **95 °C**; **1 rep.**
 - (3) Etapa 3, paso 1: **15 seg.** a **95 °C**
 - (4) Etapa 3, paso 2: **1 min.** a **60 °C**
 - (5) Etapa 3: cambiar rep. a **45 ciclos** (**Tablas a continuación y Figura 7**)

SuperScript III Condiciones del termociclador			
ETAPA 1	ETAPA 2	ETAPA 3, PASO 1	ETAPA 3, PASO 2
30 min.	2 min.	15 seg.	1 min.
50 °C	95 °C	95 °C	60 °C
1 rep.	1 rep.		
		45 ciclos	

qScript One-Step Condiciones del termociclador			
ETAPA 1	ETAPA 2	ETAPA 3, PASO 1	ETAPA 3, PASO 2
30 min.	5 min.	15 seg.	1 min.
50 °C	95 °C	95 °C	60 °C
1 rep.	1 rep.		
		45 ciclos	

Figura 7: Confirmar las condiciones del termociclador



- (6) En **Configuraciones**, cambiar el volumen a **25 µL**
 - (7) En **Configuraciones, Modo de funcionamiento**, seleccionar **Standard 7500**
 - (8) La Etapa 3, paso 2, debe destacarse en amarillo para que indique la recolección de datos
- x. Seleccionar **Guardar como**, designar el nombre del archivo y la carpeta
 - y. Hacer clic en **Iniciar**. El instrumento se iniciará y calculará el tiempo de funcionamiento.

Análisis de datos

Al finalizar el ciclo, guardar y analizar los datos según las instrucciones del fabricante del instrumento. Aunque algunas versiones del software para el AB 7500 Fast Dx y para el QSDx pueden parecer similares, los archivos de datos no tienen compatibilidad cruzada. Siga la misma

guía para análisis de datos para ambos instrumentos. Los análisis deben realizarse por separado para cada objetivo, usando una configuración de umbral manual. Los umbrales se deben ajustar para que se ubiquen al inicio de la fase exponencial de las curvas de fluorescencia y por encima de cualquier señal de fondo. El procedimiento seleccionado para la configuración del umbral debe utilizarse coherentemente. Los resultados de los valores de CT se muestran en la pestaña de informe en el software del AB 7500 Fast Dx o en la pestaña de la tabla de pocillos en el software del QSDx. Los resultados finales se pueden exportar desde el AB 7500 Fast Dx como un archivo *.csv o copiar y pegar desde la pantalla de la tabla de pocillos del QSDx Well Table en una hoja de datos.

Interpretación de los resultados de las pruebas

Independientemente del tipo de espécimen que se analiza, preparar la mezcla de RCP como se indica en "Configuración de la placa de RCP".

DETERMINACIÓN DE LA VALIDEZ DE LA PRUEBA

Antes de poder determinar los resultados de cada espécimen clínico, el funcionamiento de la placa debe determinarse como **válido**. Para que una prueba se considere válida, los controles deben alcanzar los resultados esperados:

- Los controles de la prueba (ácido nucleico extraído de VDEN, VCHIK y VZIK inactivado) deben ser positivos y estar dentro del rango de valores C_t esperado. Si los controles de la prueba son negativos
 - Repetir la placa.
 - Si la repetición de la prueba genera un resultado negativo del control positivo, contactar el servicio de asistencia técnica de LRN para solicitar ayuda.
- Los NTC deben ser negativos. Si los NTC son positivos
 - Limpiar la posible contaminación del ADN de las superficies del banco y las pipetas en las áreas de trabajo de configuración del reactivo y adición de la plantilla.
 - Repetir las muestras solo para los objetivos que se amplificaron inadecuadamente.
 - Extraer y analizar múltiples NTC.
 - Descartar las diluciones de reactivos de trabajo y rehacerlos de estándares frescos.
- El HSC (control de la extracción) debe ser
 - Positivo con el set de cebador/sonda para RP, debido al ADN humano del HSC.
 - Negativo con los sets de cebador/sonda para virus. Un resultado positivo con cebador/sondas para HSC y virus indicaría que ha ocurrido una contaminación cruzada. Si se obtiene un resultado positivo, seguir el procedimiento de limpieza descrito anteriormente.
- La prueba de RP para cada espécimen debe ser **positiva**.
 - Si la prueba de RP para una muestra de espécimen es *negativa* y las pruebas de rRT-PCR Trioplex son todas *negativas* para las muestras de espécimen:
 - i. Seguir las instrucciones a continuación:

Todos los tipos de especímenes	
1.	Repetir la prueba rRT-PCR de la muestra usando la prueba de RP y Trioplex.
2.	Repetir la extracción de la alícuota del nuevo espécimen si la prueba de RP es <i>negativa</i> para los especímenes tras repetir la prueba.
3.	Luego de repetir la extracción y repetir la prueba de RCP-TR, si los VDEN, VCHIK y/o VZIK son <i>positivos</i> , considerar el resultado como verdadero <i>positivo</i> y continuar con el algoritmo de pruebas.
4.	Si no puede obtener los resultados para un espécimen, analizar otros especímenes del paciente, si están disponibles, o solicitar la recolección de especímenes adicionales.
5.	Reportar el resultado como <i>No concluyente</i> a través de la oficina del programa LRN. Los laboratorios miembros de LRN deben reportar a través de LRN Results Messenger o LIMS.

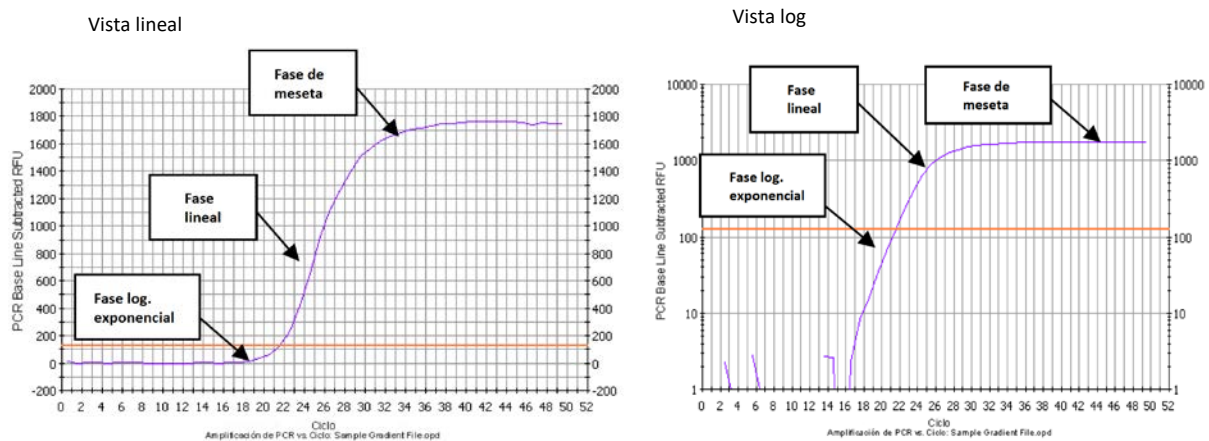
- o Si la prueba de RP para una muestra de espécimen es *negativa*, pero el resultado de VDEN, VCHIK y/o VZIK es *positivo* para las muestras de espécimen:
 - No repetir la prueba RCP-TR y considerar los resultados de la Trioplex RCP-TR válidos.

Si se han realizado todos los controles de forma adecuada, proceder a analizar cada objetivo.

NOTA: La siguiente sección contiene figuras que se muestran como ejemplos genéricos. No son específicas de esta prueba.

- Los verdaderos positivos deben producir curvas exponenciales con fases logarítmicas, lineales y mesetas (**Figura 8**).
(Nota: Los moderadamente positivos producirán altos valores C_T que en ocasiones están desprovistos de una fase de meseta; sin embargo, se observará la curva exponencial).

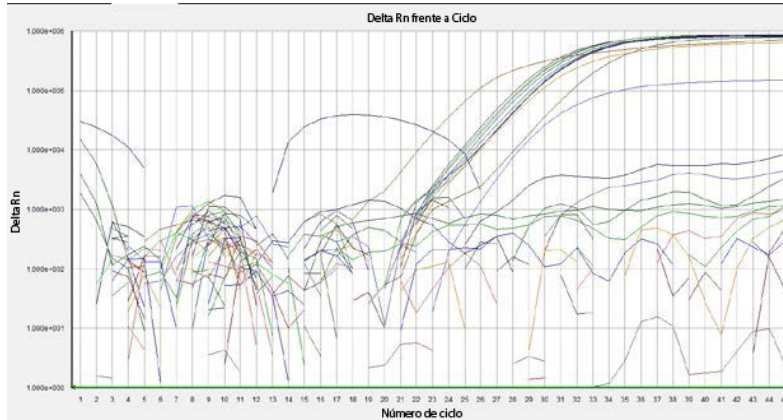
Figura 8: Las vistas log. y lineal de las curvas de RCP denotan cada etapa de los gráficos de amplificación.



- Para que una muestra sea verdadero positivo, la curva debe cruzar el umbral de forma similar a como se muestra en la **Figura 8**. NO debe cruzar el umbral y luego colocarse por debajo del umbral.

Las muestras que contienen altas concentraciones de ARN podrían generar curvas de amplificación atípicas que comienzan a crecer exponencialmente en ciclos tempranos ($C_T < 12$) y mostrar patrones atípicos (**Figura 9**).

Figura 9: Ejemplo de una curva de amplificación atípica causada por altas concentraciones del virus de chikunguña en la prueba VCHIK.

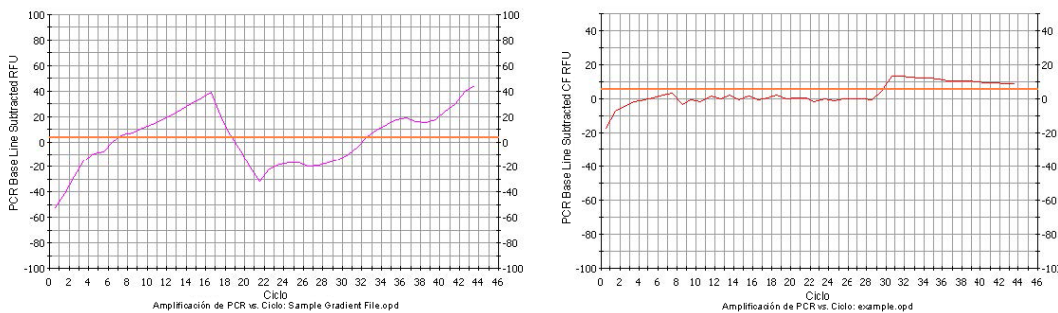


Si se obtienen dichas curvas de amplificación, se recomienda diluir el ARN eluido a 1:10 y 1:100 en agua estéril libre de nucleasa y la prueba de PRC debe repetirse como se indica arriba. Si entonces se observan curvas positivas verdaderas (curvas exponenciales con fases logarítmicas, lineales y mesetas [Figura 8]), el espécimen debe considerarse positivo. NOTA: el C_t obtenido no reflejará la viremia real debido a que la muestra habrá sido diluida.

Las burbujas grandes en el pocillo de la placa de PCR podrían causar patrones de curvas de ampliación atípicas similares.

- La **Figura 10** muestra ejemplos de falsos positivos que no se amplifican exponencialmente.

Figura 10: Ejemplos de curvas falsas positivas.



- Para comprender mejor y evaluar las curvas difíciles con más eficacia, usar la vista de fluorescencia de fondo (Rn versus Ciclo con el software AB) para determinar si la curva es realmente positiva. En esta vista, un aumento marcado de la fluorescencia indica un verdadero positivo, mientras que una línea recta (o línea fluctuante) indica ausencia de amplificación.
 - La **Figura 11** muestra una curva con un valor de C_t de 29,2, aunque es evidente que la muestra es negativa al observar la vista de fluorescencia de fondo.
 - La **Figura 12** muestra un gráfico de amplificación con 3 curvas: un moderadamente débil positivo con un C_t de 36.6 (negro), un muy débil positivo con un C_t de 42.1 (rojo) y un control negativo (azul). El débil positivo ($C_t= 42.1$) se verifica para que sea positivo por un aumento marcado de la fluorescencia observado en la vista de fluorescencia de fondo.

Figura 11: Gráfico de amplificación de una muestra con una curva "fluctuante" (izquierda) y la correspondiente vista de fluorescencia de fondo (derecha).

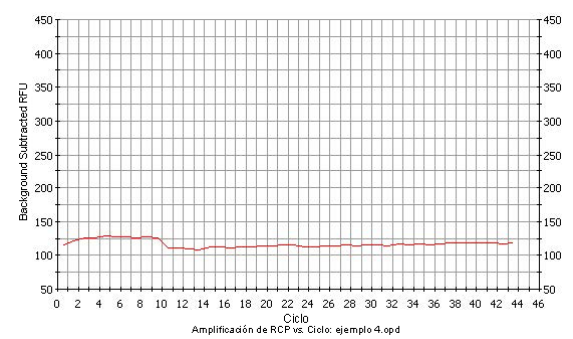
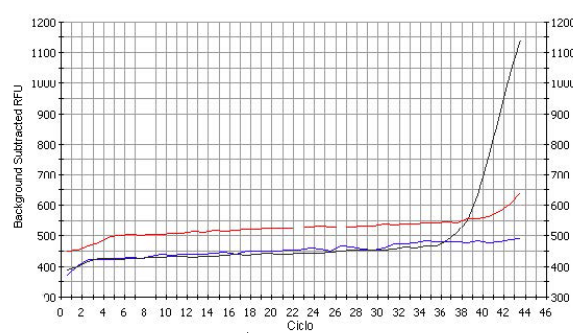
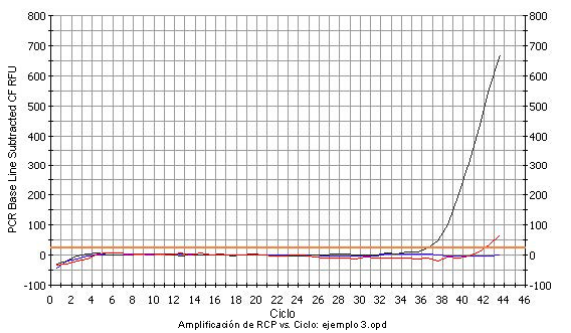


Figura 12: Gráfico de amplificación de tres muestras en la vista lineal (izquierda) y la correspondiente vista de fluorescencia de fondo (derecha).



- Nota sobre las muestras débiles positivas: Los débiles positivos deben interpretarse siempre con precaución. Observar detalladamente las curvas de fluorescencia asociadas a dichos resultados. Si las curvas son verdaderas curvas exponenciales, la reacción debe interpretarse como positiva.
 - Si es necesario repetir la prueba de un espécimen débil, es importante repetir la muestra en las réplicas ya que una ejecución de prueba repetida única tiene la posibilidad de generar un resultado inconsistente. Se debería repetir la prueba en singleplex utilizando solo set(s) de cebador/sonda que de(n) la señal positiva débil.
 - Si el espécimen se extrae y analiza nuevamente, puede ser de utilidad eluir en un volumen inferior para concentrar la muestra.
 - El servicio de asistencia técnica de LRN está disponible para ayudarle a determinar si se puede garantizar repetir la prueba y analizar otras estrategias de prueba, si corresponde.

INSTRUCCIONES PARA LA INTERPRETACIÓN E INFORME DE LOS ESPECÍMENES

Todos los controles de prueba deben examinarse antes de la interpretación de los resultados del paciente. Si los controles no son válidos, los resultados del paciente no pueden ser interpretados.

El resultado obtenido de un set de cebador y sonda se interpreta como positivo si la reacción genera una curva de crecimiento de fluorescencia que cruza el umbral en (<) 38 ciclos.

El resultado obtenido de un set de cebador y sonda se interpreta como negativo si:

- la reacción genera una curva de crecimiento de fluorescencia que cruza el umbral en, o por encima de, (\geq) 38 ciclos, O
- la reacción no genera una curva de crecimiento de fluorescencia que cruza el umbral.

Tabla 7: Instrucciones para la interpretación e informe de Trioplex rRT-PCR para los especímenes de sangre total (EDTA), suero y LCR

VZIK	VDEN	VCHIK	RP	Interpretación	Informe	Medidas
-	-	-	+	Negativo	No se detectó ARN de zika, dengue o chikunguña mediante rRT-PCR.	Informar los resultados a los CDC. No se requieren más pruebas. Nota: Si no se precisa la fecha de aparición de los síntomas o si el paciente está asintomático, se recomiendan las pruebas serológicas. Remitirse al algoritmo de los CDC.*
-	-	-	-	No concluyente	Espécimen no concluyente para la presencia de ARN de zika, dengue y chikunguña mediante rRT-PCR. Puede aparecer un resultado no concluyente en el caso de un espécimen inadecuado.	Repetir extracción y RCP-TR. Si no puede solucionar el resultado no concluyente para un espécimen de suero, solicitar la recolección de suero adicional del paciente. Reportar los resultados no concluyentes a los CDC.
-	+	-	+/-	Positivo para VDEN, pero negativo para VZIK y VCHIK.	ARN del dengue detectado mediante RCP-TR. No se detectó ARN de zika o chikunguña.	Informar los resultados a los CDC. Enviar espécimen a los CDC. Remitirse al algoritmo de los CDC.*
-	-	+	+/-	Positivo para VCHIK, pero negativo para VZIK y VDEN.	Se detectó ARN de chikunguña mediante RCP-TR. No se detectó ARN de dengue o zika.	
+	-	-	+/-	Positivo para VZIK, pero negativo para VDEN y VCHIK.	ARN del zika detectado mediante RCP-TR. No se detectó ARN de dengue o chikunguña.	
-	+	+	+/-	Positivo para VDEN y VCHIK, pero negativo para VZIK.	Se detectó ARN de dengue y chikunguña mediante RCP-TR. No se detectó ARN de zika.	
+	+	-	+/-	Positivo para VZIK y VDEN, pero negativo para VCHIK	Se detectó ARN de zika y dengue mediante RCP-TR. No se detectó ARN de chikunguña.	
+	-	+	+/-	Positivo para VZIK y VCHIK, pero negativo para VDEN	Se detectó ARN de zika y chikunguña mediante RCP-TR. No se detectó ARN de dengue.	
+	+	+	+/-	Positivo para VZIK, VDEN y VCHIK	Se detectó ARN de zika, dengue y chikunguña mediante RCP-TR.	

* Las directrices del laboratorio emitidas por los CDC y sus algoritmos de pruebas para el zika están disponibles en el sitio web de los CDC:

<http://espanol.cdc.gov/zika/laboratories/lab-guidance.html>

Si tiene especímenes positivos para enviar a los CDC, notifique al Servicio de Asistencia Técnica de LRN (LRN@cdc.gov) y solicite instrucciones para el envío de especímenes.

Tabla 8: Instrucciones para la interpretación e informe de Trioplex rRT-PCR para los especímenes de orina y líquido amniótico

VZIK	RP	Interpretación	Informe	Medidas
-	+	Negativo	No se detectó ARN de zika mediante RCP-TR.	Informar los resultados a los CDC. Remitirse al algoritmo de los CDC.*
-	-	No concluyente	Espécimen no concluyente para la presencia de ARN de zika mediante RCP-TR. Puede aparecer un resultado no concluyente en el caso de un espécimen inadecuado.	Repetir extracción y RCP-TR. Si al repetir la prueba no se resuelve el resultado no concluyente, no se debe continuar con la prueba. Informar los resultados a los CDC.
+	+/-	Positivo	Se detectó ARN del zika mediante RCP-TR.	Informar los resultados a los CDC. Enviar espécimen a los CDC. Remitirse al algoritmo de los CDC.*

*Las directrices del laboratorio emitidas por los CDC y sus algoritmos de pruebas para el zika se pueden encontrar en el sitio web de los CDC:

<http://espanol.cdc.gov/zika/laboratories/lab-guidance.html>

Si usted tiene especímenes positivos para enviar a los CDC, notifique al Servicio de Asistencia Técnica de LRN (LRN@cdc.gov) y solicite instrucciones para el envío de especímenes.

NOTA: Todos los resultados de la prueba que se obtengan mediante la Trioplex RCP-TR de los laboratorios de la LRN deben enviarse a los CDC a través de LRN Results Messenger. Consulte la Política de mensajería de datos de la LRN (que se encuentra en "Documents/LRN Specific Information/LRN Policy Statements" en el sitio web de la LRN). Si tiene preguntas acerca de esta política, comuníquese con el Servicio de Asistencia Técnica de LRN en LRN@cdc.gov.

Los resultados positivos también se pueden reportar a través de ArboNet.

NOTA: Consulte la sección **Interpretación de resultados de pruebas** para obtener directrices detalladas sobre la interpretación de resultados débiles positivos o curvas cuestionables.

Limitaciones de la prueba

La prueba Trioplex RT-PCR en tiempo real es solo para uso bajo prescripción.

La interpretación de los resultados de la prueba RCP-TR debe tener en cuenta la posibilidad de resultados falsos negativos y falsos positivos. Puede haber resultados falsos negativos si:

- recolección de muestras deficiente
- degradación de los ARN virales durante el envío o almacenamiento
- recolección de especímenes llevada a cabo antes de la aparición de los síntomas
- recolección de especímenes luego de que el ácido nucleico no se pueda hallar en el paciente (aproximadamente 14 días después de la aparición de síntomas en el análisis de suero, sangre total y/u orina).
- no haber seguido los procedimientos de prueba autorizados
- no haber usado el kit y la plataforma de extracción autorizados

La aplicación de controles de prueba adecuados que identifiquen los especímenes de mala calidad (como RNasa P) y el cumplimiento de las directrices de los CDC para las pruebas de VDEN, VCHIK y VZIK pueden ayudar a evitar la mayoría de los resultados falsos negativos.

La causa más habitual de resultados falsos negativos es la contaminación con ADN previamente amplificado.

El uso liberal de muestras de control negativas en cada prueba puede ayudar a garantizar que se detecte la contaminación en laboratorios y que los resultados falsos negativos no se reporten.

Los resultados negativos no descartan la infección por el virus del Zika y no deben utilizarse como base única para la decisión de manejo/tratamiento de un paciente. Todos los resultados deben ser interpretados por un profesional capacitado junto con la revisión del historial y los signos y síntomas del paciente.

No se dispone de mucha información acerca de los patrones de pérdida de ARN del virus del Zika en personas infectadas en todos los tipos de especímenes a lo largo del tiempo.

Esta prueba es para el uso diagnóstico *in vitro* bajo la Autorización de Uso de Emergencia de la FDA únicamente, y está limitada a laboratorios cualificados designados por los CDC.

Todos los especímenes deben ser manipulados como si fueran infecciosos. Se deben emplear las precauciones de bioseguridad apropiadas, incluyendo un equipo de protección personal, cuando se manipulen los materiales de espécimen. Se puede encontrar más información sobre la manipulación segura de especímenes de virus del Zika en: <http://espanol.cdc.gov/zika/laboratories/lab-safety.html>.

Una toma de muestra correcta, el almacenamiento y el transporte apropiados de los especímenes son fundamentales para obtener resultados correctos.

La extracción de ácido nucleico de las muestras clínicas se debe realizar con los métodos de extracción específicos indicados en este procedimiento. No se han evaluado otros métodos de extracción para su uso en esta prueba.

El desempeño solo se ha establecido con los tipos de muestras que se enumeran en el Uso previsto. No se han evaluado otros tipos de especímenes.

Características de desempeño

NOTA: Todos los datos presentados en esta sección se generaron utilizando el instrumento AB 7500 Fast Dx a menos que se indique lo contrario.

Sección 1 - Límite de detección

Visión general

Los límites de detección (LoD, por sus siglas en inglés) para la Trioplex rRT-PCR se establecieron al realizar diluciones decimales en serie del virus de reserva (ya sea de VZIK,

VDEN o VCHIK) en la matriz. La dilución más alta para la cual la prueba de Trioplex puede detectar aún ≥ 95 % de réplicas artificiales se consideró el LoD. La dilución del LoD se comparó con una curva estándar de concentración previamente establecida del ARN viral (ya sea de VZIK, VDEN o VCHIK) para determinar los equivalentes de copia del genoma por milímetro (GCE/mL). Estos LoD se resumen en la Tabla 9 para el set de cebador/sonda del VZIK y en la Tabla 10 para los sets de cebador/sonda del VDEN y VCHIK.

- El LoD del **VZIK** para la extracción automática de **pequeño volumen (suero y orina)** se determinó con el instrumento **MagNA Pure LC 2.0** utilizando SuperScript III (SS III) [Sección 1.A.].
- El LoD del **VDEN** para la extracción automática de **pequeño volumen (suero y orina)** se determinó con el instrumento **MagNA Pure LC 2.0** utilizando SS III [Sección 1.B.].
- El LoD del **VCHIK** para la extracción automática de **pequeño volumen (suero y orina)** se determinó con el instrumento **MagNA Pure LC 2.0** utilizando SS III [Sección 1.C.].
- El LoD del **VZIK** para la extracción automática de **gran volumen (suero y orina)** se determinó con el instrumento **MagNA Pure 96** [Sección 4.C.].
- El LoD del **VZIK** para la extracción automática de **pequeño volumen (sangre total EDTA)** se determinó con el instrumento **MagNA Pure 96** [Sección 4.D.].

Todos los estudios complementarios utilizaron el mismo virus de reserva que el empleado en los estudios del LoD. Los estudios complementarios de extracción automática (Sección 4) utilizaron la dilución del LoD del VZIK (determinado en los estudios de LoD) para establecer la no inferioridad para las plataformas de extracción automática empleadas en los estudios del LoD. Si la prueba Trioplex pudo detectar ≥ 95 % de las réplicas artificiales a la dilución del LoD establecido, la plataforma de extracción automática utilizada en el estudio complementario se consideró no inferior.

El estudio complementario de la mezcla maestra qScript (Sección 4) utilizó la dilución del LoD del VZIK, VDEN y VCHIK (determinado en los estudios de LoD) para establecer la no inferioridad para las mezclas maestra SuperScript empleadas en los estudios del LoD. Si la prueba Trioplex pudo detectar ≥ 95 % de las réplicas artificiales a la dilución del LoD establecido, la mezcla maestra qScript se consideró no inferior.

Tabla 9: Resumen general de los datos del límite de detección para el VZIK

	Tipo de muestra	Extracción	Mezcla maestra	LoD del VZIK	Remítase a la sección
Opción singleplex	Suero	MP 96	SS III	No inferior para el instrumento MP LC 2.0 utilizando SSIII	4H
Multiplex	Suero	MP LC 2.0	SS III	1.93 x 10 ⁴ (GCE/mL)	1A
		QIAamp	SS III	No inferior para el instrumento MP LC 2.0 utilizando SS III	4E
		MP 96	SS III		1D
		MP LC 2.0	qScript		4A
	Gran volumen de suero	MP 96	SS III	2.45 x 10 ³ (GCE/mL)	1D
		MP Compact	SS III	No inferior para instrumento MP 96	4C
		EasyMAG	SS III		4D
	Orina	MP LC 2.0	SSIII	5.38 x 10 ⁴ (GCE/mL)	1A
		QIAamp	SS III	No inferior para el instrumento MP LC 2.0 utilizando SS III	4E
		MP 96	SS III		1D
		MP LC 2.0	qScript		4A
	Gran volumen de orina	MP 96	SS III	4.64 x 10 ³ (GCE/mL)	1D
		MP Compact	SS III	No inferior para instrumento MP 96	4C
		EasyMAG	SS III		4D
	Sangre total	MP LC 2.0	SS III	2.43 x 10 ³ (GCE/mL)	1E
		MP 96	SS III	2.43 x 10 ³ (GCE/mL)	
MP Compact		SS III	2.43 x 10 ³ (GCE/mL)		

GCE = equivalente de copia de genoma

MP LC 2.0 = Instrumento de extracción MagNA Pure LC 2.0

MP 96 = Instrumento de extracción MagNA Pure 96

MP Comp = Instrumento MagNA Pure Compact

EasyMAG = Instrumento NucliSENS easyMAG bioMérieux

QIAamp = Mini-kit de ARN viral QIAamp DSP

Tabla 10: Resumen general de los datos del límite de detección para el VDEN y VCHIK

	Tipo de muestra	Extracción	Mezcla maestra	LoD del VDEN	LoD del VCHIK	Remítase a la sección
Multiplex	Suero	MP LC 2.0	SS III	VDEN-1 5.82×10^4 (GCE/mL) VDEN-2 8.25×10^4 (GCE/mL) VDEN-3 4.36×10^4 (GCE/mL) VDEN-4 2.68×10^4 (GCE/mL)	1.28×10^5 (GCE/mL)	1B y 1C
		MP 96	SS III	No inferior para el instrumento MP LC 2.0 utilizando SS III	No inferior para el instrumento MP LC 2.0 utilizando SS III	4B
		MP LC 2.0	qScript			4A
	Sangre total	MP 96	SS III	VDEN-2 4.28×10^3 (GCE/mL)	4.80×10^3 (GCE/mL)	1E

- A. LoD del VZIK (Extracción de pequeño volumen con MagNA Pure LC 2.0):
El límite de detección del set de cebador y sonda del VZIK se evaluó tanto en suero humano normal y en orina usando la cepa del brote de la Polinesia Francesa 2013 del virus del Zika (vivo). Se prepararon cinco diluciones decimales en serie para suero y orina. Cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure LC 2.0 (volumen de extracción de 200 μ L) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados de la prueba de suero y orina se resumen en las Tablas 11 y 12, respectivamente.

Tabla 11: LoD del VZIK en suero (extracción de pequeño volumen - MP LC 2.0) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio	VDEN # positivo	VCHIK # Positivo
10 ⁻³	1.93×10^7	20/20	28.10	0/20	0/20
10 ⁻⁴	1.93×10^6	20/20	31.58	0/20	0/20
10 ⁻⁵	1.93×10^5	20/20	34.84	0/20	0/20
10 ⁻⁶	1.93×10^4	20/20	37.17	0/20	0/20
10 ⁻⁷	1.93×10^3	0/20	NC	0/20	0/20

ND = No detectado

Tabla 12: LoD del VZIK en orina (extracción de pequeño volumen - MP LC 2.0) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VZIK #positivo	CT promedio	VDEN # positivo	VCHIK # Positivo
10 ⁻³	5.38×10^7	20/20	26.8	0/20	0/20
10 ⁻⁴	5.38×10^6	20/20	30.03	0/20	0/20
10 ⁻⁵	5.38×10^5	20/20	33.51	0/20	0/20
10 ⁻⁶	5.38×10^4	19/20	36.98	0/20	0/20
10 ⁻⁷	5.38×10^3	0/20	NC	0/20	0/20

ND = No detectado

B. LoD del VDEN (Extracción de pequeño volumen - suero):

El límite de detección del set de cebador y sonda de VDEN se evaluó en suero humano normal usando una cepa representativa de cada serotipo del virus del dengue (VDEN-1 Puerto Rico 1998, VDEN-2 Puerto Rico 1998, VDEN-3 Puerto Rico 2004, VDEN-4 Puerto Rico 1998). Se prepararon cinco diluciones en serie de 10 pliegues de cada cepa en cada matriz. Para cada matriz, cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure LC 2.0 (volumen de extracción de 200 µL) y se analizó mediante la Triplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados se resumen en la Tabla 13.

Tabla 13: LoD del VDEN en suero (extracción de pequeño volumen - MP LC 2.0) - Triplex

Dilución	GCE/mL	VDEN # positivo	C _T promedio	VZIK #positivo	VCHIK # Positivo	
Serotipo 1	1	5.82 x 10 ⁵	20/20	32.55	0/20	0/20
	2	5.82 x 10 ⁴	20/20	36.75	0/20	0/20
	3	5.82 x 10 ³	1/20	39.08	0/20	0/20
	4	5.82 x 10 ²	0/20	41.88	0/20	0/20
	5	5.82 x 10 ¹	0/20	NC	0/20	0/20
Serotipo 2	1	8.25 x 10 ⁶	20/20	29.18	0/20	0/20
	2	8.25 x 10 ⁵	20/20	32.17	0/20	0/20
	3	8.25 x 10 ⁴	19/20	37.03	0/20	0/20
	4	8.25 x 10 ³	0/20	38.94	0/20	0/20
	5	8.25 x 10 ²	0/20	NC	0/20	0/20
Serotipo 3	1	4.36 x 10 ⁶	20/20	29.99	0/20	0/20
	2	4.36 x 10 ⁵	20/20	33.54	0/20	0/20
	3	4.36 x 10 ⁴	20/20	37.07	0/20	0/20
	4	4.36 x 10 ³	0/20	39.78	0/20	0/20
	5	4.36 x 10 ²	0/20	NC	0/20	0/20
Serotipo 4	1	2.68 x 10 ⁶	20/20	30.61	0/20	0/20
	2	2.68 x 10 ⁵	20/20	33.86	0/20	0/20
	3	2.68 x 10 ⁴	19/20	37.33	0/20	0/20
	4	2.68 x 10 ³	1/20	39.46	0/20	0/20
	5	2.68 x 10 ²	0/20	NC	0/20	0/20

ND = No detectado

C. LoD del VCHIK (Extracción de pequeño volumen - suero):

El límite de detección del set de cebador y sonda de VCHIK se evaluó en suero humano normal usando la cepa del brote de Puerto Rico 2014 del virus del chikunguña. Se prepararon cinco diluciones en serie de 10 pliegues en cada matriz. Para cada matriz, cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure LC 2.0 (volumen de extracción de 200 µL) y se analizó mediante la Triplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados de la prueba de suero se resumen en la Tabla 14.

Tabla 14: LoD del VCHIK en suero (extracción de pequeño volumen - MP LC 2.0) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VCHIK # Positivo	C _T promedio	VZIK #positivo	VDEN # positivo
1	1.28 x 10 ⁷	20/20	31.95	0/20	0/20
2	1.28 x 10 ⁶	20/20	35.42	0/20	0/20
3	1.28 x 10 ⁵	19/20	37.22	0/20	0/20
4	1.28 x 10 ⁴	2/20	38.26	0/20	0/20
5	1.28 x 10 ³	0/20	NC	0/20	0/20

ND = No detectado

- D. Estudios del LoD del zika - Instrumento MagNA Pure LC 96 para pequeño volumen de suero y orina (volumen de llenado de 0.2 mL) y extracción de gran volumen (volumen de llenado de 1 mL):

El límite de detección del set de cebador y sonda del VZIK se evaluó en suero humano normal y en orina usando una cepa viva del virus del Zika del brote de 2013 en la Polinesia Francesa. El virus del Zika se utilizó en la evaluación del volumen de llenado de este espécimen como representación de los tres virus detectados en la prueba. Se prepararon en suero y orina cuatro diluciones decimales en serie de las reservas vivas del virus del Zika. Para cada matriz, cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure 96 (volumen de extracción de 0.2 mL y 1.0 mL) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. El límite de detección fue equivalente entre los volúmenes de llenado grande y pequeño (estándar), aunque el volumen de llenado grande generalmente mostró alrededor de 2 Ct inferiores con respecto al volumen estándar, lo que sugiere un ligero incremento de la sensibilidad. Por consiguiente, se recomienda el método de extracción de gran volumen para MagNA Pure 96 para la extracción de suero y orina con MagNA Pure 96 para la prueba Trioplex. Los resultados se resumen en la Tabla 15 y la Tabla 16.

Tabla 15: LoD del VZIK en suero (extracción de pequeño y gran volumen - MP 96) -Trioplex

		Suero (gran volumen)			Suero (pequeño volumen)		
		GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio	GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio
Dilución	10 ⁻⁵	2.45 x 10 ⁴	20/20	32.42	2.45 x 10 ⁴	20/20	34.90
	10 ⁻⁶	2.45 x 10 ³	20/20	35.44	2.45 x 10 ³	20/20	37.17
	10 ⁻⁷	2.45 x 10 ²	5/20	37.85	2.45 x 10 ² †	1/20	38.57
	10 ⁻⁸	2.45 x 10 ¹	0/20	NA	2.45 x 10 ¹	1/20	39.18

Tabla 16: LoD del VZIK en orina (extracción de pequeño y gran volumen - MP 96) - Trioplex

		Orina (gran volumen)			Orina (pequeño volumen)		
		GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio	GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio
Dilución	10 ⁻⁵	4.64 x 10 ⁴	20/20	31.63	4.64 x 10 ⁴	20/20	34.02
	10 ⁻⁶	4.64 x 10 ³	20/20	35.11	4.64 x 10 ³	19/20	37.37
	10 ⁻⁷	4.64 x 10 ²	1/20	38.72	4.64 x 10 ²	3/20	39.10
	10 ⁻⁸	4.64 x 10 ¹	0/20	38.88	4.64 x 10 ¹	1/20	39.94

- E. Estudios del LoD del zika - extracción de pequeño volumen de sangre total (EDTA) (volumen de llenado de 0.2 mL) (con un paso de lisis externa) en los instrumentos MagNA Pure 96, MagNA Pure Compact y MagNA Pure LC 2.0:

El límite de detección del set de cebador y sonda del VZIK se evaluó en sangre total (EDTA) humana normal usando una cepa viva del virus del Zika del brote de 2013 en la Polinesia Francesa. Se prepararon tres diluciones decimales en serie para sangre total (EDTA). Cada concentración se extrajo 20 veces usando los instrumentos MagNA Pure 96 (volumen de extracción de 200 µL), MagNA Pure Compact y MagNA Pure LC 2.0, con un paso de lisis externa, y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados para la sangre total (EDTA) se resumen en la Tabla 17, la Tabla 18 y la Tabla 19.

Tabla 17: LoD del VZIK en sangre total (EDTA) (extracción de pequeño volumen - MP 96) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio
10 ⁻⁴	2.43 x 10 ⁴	20/20	35.01
10 ⁻⁵	2.43 x 10 ³	20/20	37.21
10 ⁻⁶	2.43 x 10 ²	0/20	39.83

Tabla 18: LoD del VZIK en sangre total (EDTA) (extracción de pequeño volumen - MP Comp) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio
10 ⁻⁴	2.43 x 10 ⁴	20/20	28.03
10 ⁻⁵	2.43 x 10 ³	20/20	31.57
10 ⁻⁶	2.43 x 10 ²	5/20	37.41

Tabla 19: LoD del VZIK en sangre total (EDTA) (extracción de pequeño volumen - MP LC 2.0) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio
10 ⁻⁴	2.43 x 10 ⁴	20/20	33.85
10 ⁻⁵	2.43 x 10 ³	19/20	37.18
10 ⁻⁶	2.43 x 10 ²	0/20	41.92

- F. Estudios del LoD del VDENV - extracción de pequeño volumen de sangre total (EDTA) (volumen de llenado de 0.2 mL) (con un paso de lisis externa) en el instrumento MagNA Pure 96:

El límite de detección del set de cebador y sonda del VDENV se evaluó en sangre total (EDTA) humana normal usando la cepa VDENV-2 de Nueva Guinea C. Se prepararon tres diluciones decimales en serie. Cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure 96 (volumen de extracción de 200 µL) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados se resumen en la Tabla 20.

Tabla 20: LoD del VDEN en sangre total (EDTA) (extracción de pequeño volumen - MP 96) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VDEN # positivo	C _T promedio	Zika # Positivo	VCHIK # Positivo
10 ⁻⁴	4.28 x 10 ⁴	20/20	34.13	0/20	0/20
10 ⁻⁵	4.28 x 10 ³	19/20	37.15	0/20	0/20
10 ⁻⁶	4.28 x 10 ²	3/20	39.05	0/20	0/20

G. Estudios del LoD del VCHIK - extracción de pequeño volumen de sangre total (EDTA) (volumen de llenado de 0.2 mL) (con un paso de lisis externa) en el instrumento MagNA Pure 96:

El límite de detección del set de cebador y sonda del VCHIK se evaluó en sangre total (EDTA) humana normal usando la cepa clínica de VCHIK de Puerto Rico 2014. Se prepararon tres diluciones decimales en serie. Cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure 96 (volumen de extracción de 200 µL) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados se resumen en la Tabla 21.

Tabla 21: LoD del VCHIK en sangre total (EDTA) (extracción de pequeño volumen - MP 96) - Trioplex

Dilución	GCE/mL	VCHIK # Positivo	C _T promedio	Zika # Positivo	VDEN # positivo
10 ⁻⁴	4.80 x 10 ⁴	20/20	33.89	0/20	0/20
10 ⁻⁵	4.80 x 10 ³	19/20	37.06	0/20	0/20
10 ⁻⁶	4.80 x 10 ²	0/20	39.58	0/20	0/20

H. Sensibilidad analítica - Materiales de referencia de la FDA

Para evaluar la sensibilidad analítica de la prueba Trioplex RT-RCP de los CDC, se llevó a cabo un estudio analítico usando materiales de referencia (S1 y S2) y un protocolo estándar suministrado por la FDA, que incluye un estudio de hallazgos con LoD y un estudio confirmatorio con LoD. El estudio se realizó usando el kit de extracción de volúmenes grandes MagNA Pure 96 sobre el IVD de MagNA Pure 96 y el kit de rRT-PCR SuperScript III Platinum. Los resultados se presentan en la Tabla 22 a continuación.

Tabla 22: Resumen de los resultados de confirmación con LoD usando los materiales de referencia de la FDA

Materiales de referencia	Tipo de espécimen*	LoD confirmado** en el ARN de la prueba NAAT Unidades/mL detectables
M1	Suero	3,300
M1	Orina	1,000
M2	Suero	1,670
M2	Orina	1,670

*La prueba rRT-PCR también se evaluó añadiendo el material de referencia de la FDA a la sangre total; sin embargo, los resultados no concluyentes se obtuvieron al agregar el virus del Zika inactivado con calor a la matriz de la sangre total.

**El estudio se llevó a cabo según el protocolo emitido por la FDA.

Sección 2 - Inclusión

Tenga en cuenta que los cebadores y sondas para pruebas Trioplex y singleplex tienen las mismas secuencias, por lo tanto, las siguientes evaluaciones de inclusión y exclusión se aplican a ambos formatos de pruebas.

A. Evaluación de inclusión del VDEN:

La inclusión del set de cebador y sonda de VDEN se evaluó mediante el uso de un panel de ARN de 29 muestras aisladas internacionales, que representaban cepas contemporáneas de todos los genotipos relevantes desde el punto de vista clínico. La prueba se realizó mediante el uso de la mezcla maestra SuperScript III. El resumen de los resultados de la prueba se muestra en la Tabla 23.

Tabla 23: Inclusión del VDEN en los virus del dengue – Formato Trioplex

Serotipo del virus del dengue	Cepas analizadas	Resultados positivos de VDEN
1	6	100 %
2	11	100 %
3	6	100 %
4	6	100 %

B. Análisis de secuencias de VZIK, VDEN y VCHIK:

El análisis *in silico* de secuencias de cebadores y sondas de la Trioplex RCP-TR se realizó a fin de verificar la homología de secuencias de reactivos con cada virus y región objetivo correspondientes. Para este estudio, se seleccionó un total de 514 cepas del virus del dengue históricas y actuales, entre ellas, 104 VDEN-1, 142 VDEN-2, 154 VDEN-3 y 114 VDEN-4, 206 cepas del virus del chikunguña y 33 cepas del virus del Zika. Todas las secuencias de cebadores y sondas mostraron 100 % de identidad de secuencia con su objetivo esperado, lo cual predijo que no existe la posibilidad de que haya resultados falsos negativos. La Tabla 24 a continuación presenta un resumen de estos hallazgos.

Tabla 24: Análisis de inclusión *in silico*

Virus	Cepa	N.º de GenBank	Identidad de secuencia cebador/sonda									
			VDEN-F	VDEN-R1	VDEN-R2	VDEN-P	VCHIK-F	VCHIK-R	VCHIK-P	VZIK-F	VZIK-R	VZIK-P
VDEN-1	México 2012	KJ189368	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-1	Nicaragua 2011	KF973453	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-1	Brasil 2010	JX669466	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-1	Arabia Saudita 2011	KJ649286	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-1	Tailandia 2013	KF887994	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-2	Perú 2011	KC294210	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-2	Brasil 2010	JX669477	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-2	Indonesia 2010	KC762679	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-2	Arabia Saudita 2014	KJ830750	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-2	Singapur 2012	KM279577	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-3	Nicaragua 2009	JF937631	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-3	Indonesia 2010	KC762693	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-3	China 2013	KJ622195	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-3	Tailandia 2010	HG316483	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-3	Brasil 2009	JF808120	100 %	100 %	<85 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-4	Venezuela 2007	HQ332174	100 %	<85 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-4	Brasil 2010	JN983813	100 %	<85 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-4	Paquistán 2009	KF041260	100 %	<85 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-4	Singapur 2005	GQ398256	100 %	<85 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VDEN-4	Camboya 2008	JN638570	100 %	<85 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	El Salvador 2014	KR559471	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Jamaica 2014	KR559489	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Trinidad y Tobago 2014	KR046231	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Polinesia Francesa 2015	KR559473	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Brasil 2014	KR264951	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Guyana 2014	KR559496	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %

Virus	Cepa	N.º de GenBank	Identidad de secuencia cebador/sonda									
			VDEN-F	VDEN-R1	VDEN-R2	VDEN-P	VCHIK-F	VCHIK-R	VCHIK-P	VZIK-F	VZIK-R	VZIK-P
VCHIK	Tailandia 2013	KJ579186	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	India 2013	KT336782	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Indonesia 2013	KM673291	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	China 2012	KC488650	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Filipinas 2013	AB860301	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Rep. del Congo 2011	KP003813	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Singapur 2008	FJ445463	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Sri Lanka 2008	FJ513654	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	China 2008	GU199351	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Malasia 2008	FJ807899	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	India 2008	JN558835	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	México 2014	KP851709	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Puerto Rico 2014	KR559474	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VCHIK	Honduras 2014	KR559488	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %	<20 %	<20 %	<20 %
VZIK	China 2016	KU740184	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Brasil 2015	KU527068	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Guatemala 2015	KU501217	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Brasil 2015	KU365778	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Polinesia Francesa 2013	KJ776791	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Surinam 2015	KU312312	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Puerto Rico 2015	KU501215	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Tailandia 2014	KU681081	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Filipinas 2012	KU681082	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Isla de Martinica 2015	KU647676	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Micronesia 2007	EU545988	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	Haití 2014	KU509998	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VZIK	China 2016	KU744693	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %
VIK	Brasil 2015	KU321639	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	<20 %	100 %	100 %	100 %

Sección 3 - Exclusividad

A. Evaluación de exclusividad de afines cercanos:

Se analizó ampliamente la evaluación de la reactividad cruzada de cada componente de la Trioplex RCP-TR con los virus afectados por los otros componentes, como parte del LoD, el puente y las evaluaciones de los especímenes artificiales. No se observó reactividad cruzada entre los cebadores y las sondas de los componentes y estos tres virus.

Se seleccionaron tres flavivirus adicionales (VNO, VFA y VESL) para evaluar la especificidad de los sets de cebadores y sondas del VDEN, VZIK Y VCHIK. Se extrajo el sobrenadante de los cultivos de tejido del VNO (cepa NY99), VFA (cepa 17D), y VESL (cepa MSI-7) mediante el instrumento MagNA Pure LC 2.0 de Roche y se analizó utilizando la mezcla maestra SuperScript III. Los tres virus se analizaron por duplicado en 3 diluciones de 10 veces. No se observó reactividad cruzada. Todos los controles se realizaron según lo previsto.

Tabla 25: Reactividad cruzada cercana – Formato Trioplex

Virus	Cepa	Resultado del VZIK	Resultado de VDEN	Resultado de VCHIK
Virus del Nilo Occidental	NY99	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada
virus de la fiebre amarilla	17D	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada
Virus de encefalitis de San Luis	MSI-7	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada
Virus del Zika*	Polinesia Francesa 2013	n/a	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada
virus del dengue*	Representantes de los 4 serotipos	No hay reactividad cruzada	n/a	No hay reactividad cruzada
Virus de chikunguña*	Puerto Rico	No hay reactividad cruzada	No hay reactividad cruzada	n/a

*Los resultados de la reactividad cruzada para estos tres virus se extrapolaron de los datos presentados en el límite de detección, el puente, las evaluaciones de los especímenes clínicos y artificiales archivados.

B. Evaluación de exclusión no arboviral:

Algunos virus y organismos conocidos por provocar signos y síntomas similares a los de los virus detectados mediante la Trioplex RCP-TR fueron seleccionados para formar parte de la evaluación de exclusión. Se preparó el ácido nucleico de estándares cuantificados de cepas calificadas de cada uno de los organismos enumerados. Todos

los organismos se analizaron por triplicado a una concentración alta: 100 pg de ácido nucleico/reacción No se observó reactividad cruzada. Todos los controles se realizaron según lo previsto.

Tabla 26: Reactividad cruzada no arboviral – Formato Trioplex

Organismo		Concentración	Número positivo		
			VZIK	VDEN	VCHIK
Bacterias	<i>Borrelia burgdorferi</i>	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
Hongo	<i>Histoplasma</i>	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
Protozoos	<i>Plasmodium falciparum</i>	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
Virus	Citomegalovirus	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
	VHS-1	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
	Influenza A	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
	Influenza B	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
	VZV	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
	Vaccinia	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3
	Adenovirus	100 pg/rxn	0/3	0/3	0/3

C. Evaluación *in silico*:

La evaluación adicional de la especificidad analítica de la Trioplex RCP-TR se realizó mediante el análisis *in silico* de cada secuencia de cebadores y sondas, con respecto a otras causas comunes de cuadro febril agudo en seres humanos. Las búsquedas del análisis BLAST de los cebadores y sondas de la Trioplex RCP-TR se realizaron con respecto a las secuencias de nucleótidos de dominio público GenBank y no mostraron homologías combinadas significativas (cebador diana y sonda diana) con otras enfermedades que pudieran predecir posibles resultados de RCP-TR falsos positivos. Las enfermedades y agentes causales asociados que abarca el análisis de especificidad *in silico* se muestran en la Tabla 27.

Tabla 27: Organismos evaluados durante el análisis de especificidad *in silico*

Organismo	Organismo (taxid.)	
Bacterias	<i>Borrelia burgdorferi</i>	64895
	<i>Streptococcus del grupo A</i>	36470
	<i>Salmonella spp.</i>	590
	<i>Leptospira spp.</i>	171
	<i>Rickettsia spp.</i>	780
Tremátodos	<i>Schistosoma spp.</i>	6181
Hongo	<i>Histoplasma spp.</i>	5036
Protozoos	<i>Plasmodium falciparum</i>	5833
	<i>Trypanosoma cruzi</i>	5693
Flavivirus	Zika (VDEN y VCHIK)	64320
	Dengue (VZIK y VCHIK)	11052
	VNO	11082

Organismo		Organismo (taxid.)	
Flavivirus	VFA	40005	
	VESL	11080	
	Virus Spondweni	64318	
	JEEV	11071	
Alfavirus	Chikunguña (VZIK y VDEN)	37124	
	EEEV	11021	
	VEEO	11039	
	Virus del río Ross	11029	
	Virus del bosque Barmah	11020	
	Virus O'nyong-nyong	11027	
	Virus Mayaro	59301	
Otros virus	Parvovirus (B19)	10789	
	Virus del sarampión	11234	
	Virus de la rubéola	11041	
	Citomegalovirus	10358	
	VHS-1	10298	
	VHS-2	10310	
	Influenza A	11320	
	Influenza B	11520	
	VZV	10335	
	Vaccinia	10245	
	Virus Epstein Barr	10376	
	VIH	11676	
	Hepatitis C	11102	
	Enterovirus	12059	
	Adenovirus		108098
			130310
		129951	
		565302	
		10519	

Sección 4 - Estudios complementarios

A. Evaluaciones de las mezclas maestras qScript y SuperScript III:

Se prepararon cuatro mezclas del material para su evaluación: tres mezclas de suero y una de orina. En una mezcla de suero y una mezcla de orina se agregó una cepa del virus del Zika de 2013 de la Polinesia Francesa en el factor de dilución del estándar viral identificado como el LoD para el VZIK mediante el SuperScript III. En una mezcla de suero se agregó el virus del dengue (Puerto Rico, 1998, estereotipo 2) en el factor de dilución del estándar viral identificado como el LoD para el VDEN mediante el SuperScript III. Y una mezcla de sueros se agregó al virus del chikunguña (Puerto

Rico, 2014) en el factor de dilución del estándar viral identificado como el LoD para el VCHIK mediante el SuperScript III.

Cada mezcla se extrajo utilizando el Instrumento MagNA Pure LC 2.0, 20 veces. Cada muestra de ARN resultante se analizó mediante la Trioplex RCP-TR, utilizando la mezcla maestra SuperScript III y la mezcla maestra qScript. Los resultados muestran un desempeño comparable entre las mezclas maestras SuperScript III y qScript.

- B. El límite de detección del set de cebador y sonda de VDEN se evaluó en suero humano normal usando una cepa representativa de cada serotipo del virus del dengue (VDEN-1 Puerto Rico 1998, VDEN-2 Puerto Rico 1998, VDEN-3 Puerto Rico 2004, VDEN-4 Puerto Rico 1998). Se prepararon cinco diluciones en serie de 10 pliegues de cada cepa en cada matriz. Cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure 96 (volumen de extracción de 200 μ L) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados muestran un desempeño comparable entre el uso de MagNA Pure 96 y MagNA LC 2.0.
- C. El límite de detección del set de cebador y sonda de VCHIK se evaluó en suero humano normal usando la cepa del brote de Puerto Rico 2014 del virus del chikunguña. Se prepararon cinco diluciones en serie de 10 pliegues en cada matriz. Cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure 96 (volumen de extracción de 200 μ L) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados muestran un desempeño comparable entre el uso de MagNA Pure 96 y MagNA LC 2.0.
- D. Instrumento MagNA Pure Compact en la evaluación de la extracción de gran volumen de suero y orina: Se prepararon, en suero humano normal y orina, tres diluciones decimales en serie del virus del Zika vivo (de la concentración de reserva de 2.45×10^9 GCE/mL, de la Polinesia Francesa 2013). La reserva del virus utilizada para preparar la dilución en serie es idéntica a la empleada para preparar las diluciones para la evaluación con MagNA Pure 96 descrita previamente. Las concentraciones aquí ensayadas incluyen el factor de dilución identificado como el límite de detección para el instrumento MagNA Pure 96 en suero y orina (10^{-6}). Para cada matriz, cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure Compact (volumen de extracción de 1 mL) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Como el MagNA Pure Compact fue capaz de producir ácido nucleico extraído con una calidad suficiente que permite la detección de ARN del virus del Zika en las 20 reacciones, a un factor de dilución de 10^{-6} en ambas matrices, el instrumento no se considera inferior al MagNA Pure 96 y se acepta para usarlo en esta prueba.
- E. Instrumento NucliSENS easyMAG bioMérieux en la evaluación de la extracción de gran volumen de suero y orina:
Se evaluó el instrumento NucliSENS easyMAG bioMérieux para determinar su no inferioridad en la extracción de gran volumen de suero y orina, al compararlo con el MagNA Pure 96. Se prepararon, en suero humano normal y orina, tres diluciones decimales en serie del virus del Zika vivo. La reserva del virus utilizada para preparar la dilución en serie es idéntica a la empleada para preparar las diluciones para la evaluación con MagNA Pure 96 descrita previamente en la Sección 1. Las concentraciones aquí ensayadas incluyen el factor de dilución identificado como el límite de detección para el instrumento MagNA Pure 96 en suero y orina (10^{-6}). Para

cada matriz, cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento NucliSENS easyMAG bioMérieux (volumen de extracción de 1 mL) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III. Como el MagNA Pure Compact fue capaz de producir ácido nucleico extraído con una calidad suficiente que permite la detección de ARN del virus del Zika en las 20 reacciones, a una dilución de 10^{-6} en ambas matrices, el instrumento no se considera inferior al MagNA Pure 96 y se acepta para usarlo en esta prueba.

F. Evaluación de la extracción manual con QIAamp:

Se añadió un grupo de muestras de orina y uno de suero mediante el uso de la cepa Polinesia Francesa 2013 del virus del Zika al factor de dilución de la existencia de virales identificados como LoD para VZIK con el instrumento MagNA Pure LC 2.0. Cada grupo se extrajo 20 veces usando el Mini-kit de ARN viral DSP Qiagen QIAamp y se probó mediante la Trioplex RCP-TR usando la mezcla maestra SuperScript III. Los resultados muestran que el Minikit de ARN viral DSP Qiagen QIAamp se desempeña de una manera no inferior al instrumento MagNA Pure LC 2.0 en la preparación de ácido nucleico para pruebas subsiguientes mediante la Trioplex RCP-TR y su uso es aceptable en esta prueba.

G. Evaluación con instrumento de PCR en tiempo real QuantStudio™ Dx:

Se evaluó la prueba Trioplex rRT-PCR en combinación con el instrumento de PCR en tiempo real QuantStudio™ para determinar la no inferioridad en matrices de suero, orina y sangre total cuando se comparan con el instrumento AB 7500 Fast Dx. Se prepararon y analizaron 10 diluciones de las reservas de zika (Polinesia Francesa 2013), 1-4 serotipos de virus del dengue (VDEN-1 Puerto Rico 1998, VDEN-2 Puerto Rico 1998, VDEN-3 Puerto Rico 2004, VDEN-4 Puerto Rico 1998) y virus de chikunguña (Puerto Rico 2014) utilizando la prueba Trioplex rRT-PCR con las mezclas maestras SuperScript III y qScript en ambos instrumentos de PCR. Las concentraciones aquí ensayadas incluyen las identificadas como el límite de detección para el instrumento AB 7500 Fast Dx. Para cada matriz, se extrajo cada concentración 20 veces usando las plataformas de extracción MagNA Pure LC 2.0 y MagNA Pure 96 (incluyendo opciones de extracción de volumen grande y pequeño para el virus del Zika en suero y orina). El instrumento de PCR en tiempo real QuantStudio™ pudo detectar virus del Zika, dengue y chikunguña en no menos del 95 % de las reacciones enriquecidas en la dilución con LoD en las tres matrices usando las mezclas maestras SuperScript III y qScript, por lo tanto, el instrumento no es inferior al AB 7500 Fast Dx y es aceptable para usar con la prueba Trioplex rRT-PCR.

H. Comparaciones de hallazgos con singleplex y reacción multiplex:

Se preparó una serie de diluciones decimales de la cepa del brote de la Polinesia Francesa 2013 del virus del Zika en un suero humano normal y se sometió a la prueba Trioplex como reacción multiplex y mediante la prueba VZIK como reacción singleplex. Cada concentración se analizó 8 veces. La extracción se llevó a cabo mediante el protocolo de volumen pequeño y con el instrumento MagNA Pure LC 2.0 siguiendo las instrucciones para su uso descritas para esta prueba. La PCR se realizó mediante el uso de la mezcla maestra Invitrogen SuperScript III. Todas las reacciones PCR se realizaron simultáneamente para eliminar la variación entre distintas series. El resumen de los resultados se muestra en la Tabla 28.

Tabla 28: Comparación de VZIK en singleplex y multiplex en suero (extracción de volumen pequeño - MP LC 2.0)

Dilución	Singleplex (volumen pequeño)		Multiplex (volumen pequeño)	
	VZIK #positivo	C _T promedio	VZIK #positivo	C _T promedio
10-1	8/8	21.75	8/8	20.94
10-2	8/8	24.86	8/8	23.98
10-3	8/8	28.43	8/8	27.42
10-4	8/8	31.49	8/8	30.49
10-5	8/8	35.56	8/8	34.03
10-6	8/8	36.40	8/8	36.12
10-7	2/8	38.03	4/8	37.99
10-8	0/8	NC	0/8	NC

ND = No detectado

Se preparó una serie de diluciones decimales de la cepa del brote de Puerto Rico 2014 del virus del chikunguña en un suero humano normal y se sometió a la prueba Trioplex como reacción multiplex y mediante la prueba de VCHIK como reacción singleplex. Cada concentración se analizó 5 veces. La extracción se llevó a cabo mediante el protocolo de volumen pequeño y con el instrumento MagNA Pure LC 2.0 siguiendo las instrucciones para su uso descriptas para esta prueba. La PCR se realizó mediante el uso de la mezcla maestra Invitrogen SuperScript III. Todas las reacciones PCR se realizaron simultáneamente para eliminar la variación entre distintas series. El resumen de los resultados se muestra en la Tabla 29.

Tabla 29: Comparación de VCHIK en singleplex y multiplex en suero (extracción de volumen pequeño - MP LC 2.0)

Dilución	Singleplex (volumen pequeño)		Multiplex (volumen pequeño)	
	VCHIK # Positivo	C _T promedio	VCHIK # Positivo	C _T promedio
10-1	5/5	22.04	5/5	22.40
10-2	5/5	25.29	5/5	25.46
10-3	5/5	29.04	5/5	29.48
10-4	5/5	32.19	5/5	32.50
10-5	5/5	35.82	5/5	35.86
10-6	0/5	NC	0/5	NC
10-7	0/5	NC	0/5	NC
10-8	0/5	NC	0/5	NC
10-9	0/5	NC	0/5	NC
10-10	0/5	NC	0/5	NC

ND = No detectado

Se preparó una serie de 4 diluciones decimales (cepa del brote de Puerto Rico 1998) del virus del dengue en un suero humano normal y se sometió a la prueba Trioplex como reacción multiplex y mediante la prueba VDEN como reacción singleplex. Cada concentración se analizó 8 veces para la reacción singleplex y 5 veces para la reacción multiplex. La extracción se llevó a cabo mediante el protocolo de volumen pequeño y con el instrumento MagNA Pure LC 2.0 siguiendo las instrucciones para su uso descriptas para esta prueba. La PCR se realizó mediante el uso de la mezcla maestra Invitrogen SuperScript III. Todas las reacciones PCR se realizaron simultáneamente para eliminar la variación entre distintas series. El resumen de los resultados se muestra en la Tabla 30.

Tabla 30: Comparación de VDEN en singleplex y multiplex en suero (extracción de pequeño volumen - MP LC 2.0)

Dilución	Singleplex (volumen pequeño)		Multiplex (volumen pequeño)	
	VDEN # positivo	C _T promedio	VDEN # positivo	C _T promedio
10 ⁻¹	8/8	15.65	5/5	16.55
10 ⁻²	8/8	18.47	5/5	18.28
10 ⁻³	8/8	21.32	5/5	21.95
10 ⁻⁴	8/8	24.90	5/5	25.30
10 ⁻⁵	8/8	28.82	5/5	30.12
10 ⁻⁶	8/8	34.02	5/5	34.05
10 ⁻⁷	8/8	36.16	2/5	38.32
10 ⁻⁸	0/8	NC	0/5	NC

ND = No detectado

- I. Estudios del LoD del zika - Instrumento MagNA Pure LC 96 para volumen pequeño de suero y orina (volumen de llenado de 0.2 mL):
El límite de detección del set de cebador y sonda del VZIK en singleplex se evaluó en suero humano normal usando una cepa viva del virus del Zika del brote de 2013 en la Polinesia Francesa. Se prepararon en suero 10 diluciones en serie de las reservas vivas del virus del Zika. Cada concentración se extrajo 20 veces usando el instrumento MagNA Pure 96 (volumen de extracción de 0.2 mL) y se analizó mediante la Trioplex rRT-PCR usando la mezcla maestra SuperScript III.

Tabla 31: Evaluación de LoD de singleplex del VZIK en suero (extracción de volumen pequeño - MP 96)

Dilución	Singleplex (volumen pequeño)		
	GCE/mL	VZIK #positivo	C _T promedio
10 ⁻⁵	1.35 x 10 ⁴	20/20	35.72
10 ⁻⁶	1.35 x 10 ³	20/20	37.02
10 ⁻⁷	1.35 x 10 ²	3/20	39.88
10 ⁻⁸	1.35 x 10 ¹	0/20	39.77

Sección 5 - Evaluación clínica

A. Desempeño clínico de la Trioplex rRT-PCR:

De la colección de archivos de la Sucursal de Dengue de los CDC en Puerto Rico, se seleccionaron 130 especímenes de suero para evaluar el desempeño de la Trioplex RCP-TR. Se incluyeron cuarenta y ocho (48) especímenes de casos de dengue (12 de cada serotipo), 12 de casos de chikunguña, 20 de casos de zika y 50 especímenes negativos de personas sintomáticas en este conjunto de especímenes. Luego de retirados del archivo (-70 °C), los especímenes fueron sometidos a pruebas con la Trioplex RCP-TR (mediante el uso de SuperScript III y el instrumento MagNA Pure LC 2.0), la prueba rRT-PCR 1-4 para VDEN, la prueba singleplex NS3 para el zika, desarrollada y validada en el laboratorio y la prueba rRT-PCR nSP1 para chikunguña aprobadas por la FDA. Los resultados de las pruebas con RCP-TR 1-4 para VDEN y las pruebas RCP-TR en el laboratorio para zika y chikunguña coincidieron con la determinación anterior asociada con todos, excepto uno, de los especímenes del depósito.

Un espécimen de Zika archivado generó resultados negativos con la prueba NS3 para el zika desarrollada en el laboratorio (C_T 38.45, corte positivo de la prueba <38) y resultados positivos para el zika con la Trioplex RCP-TR. Debido al resultado obtenido con la prueba NS3 para el zika desarrollada en el laboratorio, el espécimen de zika archivado fue reclasificado como espécimen negativo y el resultado de la Trioplex se analizó como falso positivo. Los resultados de la prueba Trioplex RCP-TR se compararon con la categoría de especímenes archivados en la tabla a continuación.

Tabla 32: Desempeño de la Trioplex rRT-PCR con especímenes clínicos de suero archivados

Categoría de espécimen	Analizados	Resultado del componente Trioplex		
		Positivo para VZIK	Positivo para VDEN	Positivo para VCHIK
Zika	19*	19/19	0/19	0/19
Dengue	48	0/48	47/48**	0/48
Chikunguña	12	0/12	0/12	12/12
Negativo	51*	2/51	0/51	1/51
Acuerdo porcentual positivo		100 % (19/19) 95 % CI: 83.2 % - 100 %)	97.9 % (47/48) 95 % CI: 89.1 % - 99.6 %	100 % (12/12) 95 % CI: 75.8 % - 100 %
Acuerdo porcentual negativo		98.2 % (109/111) 95 % CI: 93.7 % - 99.5 %	100 % (82/82) 95 % CI: 95.5 % - 100 %	99.2 % (117/118) 95 % CI: 95.4 % - 99.9 %

* Cuando se analizó un espécimen de zika archivado, luego de ser retirado del archivo, dio un valor de C_T por encima del corte de la prueba NS3 para zika desarrollada en el laboratorio. Por lo tanto, el espécimen fue reclasificado como negativo. El espécimen dio un resultado positivo para el zika con la prueba Trioplex, y se presentó como resultado falso positivo.

**Un espécimen de dengue (serotipo 4) generó un C_T de 39.87, que se considera un resultado negativo. El resultado de la prueba VDEN 1-4 para el espécimen fue positivo para el serotipo 4.

B. Desempeño clínico de VZIK, VCHIK y VDEN cuando se realiza singleplex (pocillos separados):

En la sección 5A (desempeño clínico de la Trioplex rRT-PCR), las muestras se analizaron con 3 juegos de cebadores/sondas en un único pocillo (multiplex). Se analizaron otra vez las mismas 130 muestras de la sección 5A, pero con VZIK, VCHIK y VDEN, en pocillos separados (singleplex) para comparar su rendimiento cuando se realiza una prueba singleplex en lugar de multiplex. Luego de retirados del archivo (-70 °C), los especímenes fueron sometidos a pruebas con VZIK, VCHIK y VDEN de forma separada mediante el uso de SuperScript III y el instrumento MagNA Pure LC 2.0. También fueron sometidos a pruebas con rRT-PCR VDEN 1-4 de los CDC, además de la prueba singleplex NS3 para el zika, desarrollada y validada en el laboratorio y la prueba rRT-PCR nSP1 para chikunguña aprobadas por la FDA. Los resultados de las pruebas con RCP-TR 1-4 para VDEN y las pruebas RCP-TR en el laboratorio para zika y chikunguña coincidieron con la determinación anterior asociada con todos, excepto uno, de los especímenes del depósito.

Un espécimen de zika archivado generó resultados negativos con la prueba NS3 para el zika desarrollada en el laboratorio (C_T 38.45, corte positivo de la prueba <38) y resultados positivos para el zika con el juego de cebador y sonda para VZIK. Debido al resultado obtenido con la prueba NS3 para el zika desarrollada en el laboratorio, el espécimen de zika archivado fue reclasificado como espécimen negativo y el resultado de VZIK se analizó como falso positivo. Los resultados de las pruebas con set de cebador/sonda individual se compararon con la categoría de especímenes archivados en la tabla a continuación.

Tabla 33: Desempeño de singleplex para VZIK, VCHIK y VDEN con especímenes clínicos de suero archivados

Categoría de espécimen	Analizados	Resultados de las reacciones a Singleplex		
		Positivo para VZIK	Positivo para VDEN	Positivo para VCHIK
Zika	19*	19/19	0/19	0/19
Dengue	48	0/48	48/48	0/48
Chikunguña	12	0/12	0/12	12/12
Negativo	51*	1/51	0/51	0/51
Acuerdo porcentual positivo		100 % (19/19) 95 % CI: 83.2 % - 100 %	100 % (48/48) 95 % CI: 92.6 % - 100 %	100 % (12/12) 95 % CI: 75.8 % - 100 %
Acuerdo porcentual negativo		99.1 % (110/111) 95 % CI: 95.1 % - 99.8 %	100 % (82/82) 95 % CI: 95.5 % - 100 %	100 % (118/118) 95 % CI: 96.9 % - 100 %

* Cuando se analizó un espécimen de zika archivado, luego de ser retirado del archivo, dio un valor de C_T por encima del corte de la prueba NS3 para zika desarrollada en el laboratorio. Por lo tanto, el espécimen fue reclasificado como negativo. El espécimen dio un resultado positivo para el zika con la reacción VZIK, y se presentó como resultado falso positivo.

- C. Detección del ARN del zika en especímenes clínicos coincidentes con un caso:
 El suero, la orina y la sangre total (EDTA) se recolectaron durante la primera semana, a partir de la aparición de los síntomas, de 175 pacientes diagnosticados con la infección por el virus del Zika en el brote del 2016 en Puerto Rico. Como parte del estudio, los tres especímenes se obtuvieron del paciente el mismo día y se enviaron para su análisis. Los especímenes de suero se analizaron con el CDC MAC-ELISA para el zika, según el protocolo de la EUA. El suero, la orina y la sangre total se analizaron con la Trioplex rRT-PCR de los CDC, utilizando el protocolo de extracción de MagNA Pure 96 para pequeño volumen (volumen de llenado de 200 µL), con un paso de lisis externa, y la mezcla maestra Invitrogen SuperScript III. Además, el 65 % de estos pacientes se sometieron a una segunda toma de muestra de suero, tras 6 días DPO. Esta segunda muestra de suero se analizó con el CDC MAC-ELISA para IgM para el zika, según el protocolo de la EUA.

Para la presentación de datos en este estudio, estos 175 casos se consideraron como casos reales infectados con el virus del Zika, si al menos una de las pruebas de diagnóstico daba un resultado positivo o equívoco en una o en más de una de las muestras. El resumen de los resultados por tipo de espécimen se presenta en la Tabla 34. Durante los primeros 7 días posteriores a la aparición de los síntomas, normalmente se detectó el ARN del zika en los especímenes de los pacientes.

Tabla 34: Porcentaje de resultados positivos por días posteriores a la aparición de los síntomas (DPO, por sus siglas en inglés) para cada tipo de prueba y de espécimen - Formato Trioplex

DPO	IgM para el zika en suero		Trioplex para suero (VZIK)		Trioplex para orina (VZIK)		Trioplex para sangre total (VZIK)	
0	1/11	9.1 %	8/11	72.7 %	4/11	36.4 %	10/11	90.9 %
1	7/40	17.5 %	27/40	67.5 %	16/40	40 %	38/40	95 %
2	4/26	15.4 %	20/26	76.9 %	9/26	34.6 %	25/26	96.2 %
3	4/22	18.2 %	19/22	86.4 %	14/22	63.6 %	21/22	95.5 %
4	30/39	76.9 %	24/39	61.5 %	24/39	61.5 %	36/39	92.3 %
5	16/22	72.7 %	11/22	50 %	13/22	59.1 %	20/22	90.9 %
6	10/14	71.4 %	7/14	50 %	10/14	71.4 %	13/14	92.9 %
7	1/1	-	0/1	-	0/1	-	0/1	-
Todos los	73/175	41.7 %	116/175	66.3 %	90/175	51.4 %	163/175	93.1 %

- D. Detección del ARN del dengue y chikunguña en especímenes de suero y sangre total archivados coincidentes del paciente.
 Se seleccionó un panel de especímenes de sangre total (EDTA) de la colección del archivo de los CDC para incluir sangre total extraída a 60 personas diagnosticadas con la infección por el virus del dengue y a 56 personas diagnosticadas con la infección por el virus de chikunguña en Puerto Rico. Los especímenes se obtuvieron y archivaron antes del brote actual de virus del Zika en Puerto Rico. Los diagnósticos de dengue se realizaron a partir de la prueba de rRT-PCR del espécimen de suero, usando la prueba RT-PCR en tiempo real VDEN 1-4 de los CDC, aprobada por la FDA. Los diagnósticos del virus de chikunguña se realizaron a partir de la prueba de suero que incluyó la prueba de laboratorio rRT-

PCR nSP1 para el virus de chikunguña, de Lanciotti et al. Todos los especímenes de suero y sangre total se almacenaron en congelación.

Todos los especímenes de suero y sangre total se extrajeron mediante el método MagNA Pure 96 correspondiente, descrito en las Instrucciones de uso. Se utilizó Invitrogen SuperScript III para la prueba Trioplex rRT-PCR.

Todos los especímenes de sangre total archivados y todos los especímenes de suero archivados, excepto uno, arrojaron resultados en la Trioplex rRT-PCR para ambos especímenes que concuerdan con los resultados diagnósticos cualitativos obtenidos con la rRT-PCR para VDEN 1-4 y rRT-PCR para VCHIK en el espécimen de suero, antes de ser archivado. En sentido general, los valores Ct de sangre total en Trioplex rRT-PCR fueron 2-3 Ct. más bajos para el VDEN y VCHIK en sangre total que en el espécimen de suero coincidente con un paciente.

Ni en los especímenes de sangre total ni en el suero de los 116 pacientes se obtuvo un resultado positivo para el ARN del virus del Zika en la prueba Trioplex, lo cual demuestra que no hubo reactividad cruzada y se obtuvo una coincidencia del 100 % de resultados negativos con los resultados negativos esperados del ARN del virus del Zika (95 % CI: 96,8 % - 100 %). Los datos se resumen en la Tabla 35.

Tabla 35: Detección del ARN del dengue y chikunguña en los sueros y la sangre total archivados - Formato Trioplex

Grupo de archivo	Pruebas comparativas (prueba en suero)		Prueba Trioplex en suero			Prueba Trioplex en sangre total		
	VDEN 1-4 pos.	VCHIK nSP1 pos.	VDEN pos.	VCHIK pos.	VZIK pos.	VDEN pos.	VCHIK pos.	VZIK pos.
Dengue Casos	60/60	NA	59/60*	0/60	0/60	60/60	0/60	0/60
Chikunguña Casos	NA	56/56	0/56	56/56	0/56	0/56	56/56	0/56

¹ Todas las pruebas comparativas se realizaron antes de que los especímenes se archivaran en el congelador.

² Un espécimen de suero generó un valor Ct para VDEN en Trioplex de 40.05. El valor Ct para la prueba VDEN 1-4, antes de archivar, fue 36.11, dentro del rango de valores Ct. generalmente observados en el límite de detección para la prueba.

- E. Teniendo en cuenta los resultados de ambos estudios clínicos descritos en la Sección 5B y la Sección 5C que aparecen anteriormente, se evaluó el desempeño de la prueba Trioplex rRT-PCR al analizar especímenes de sangre total EDTA para el ARN del virus del Zika, en comparación con la "Condición de paciente infectado con el zika", según se determinó mediante los resultados de la prueba Trioplex rRT-PCR para el virus del Zika al analizar especímenes de suero y orina coincidentes con un paciente, o los resultados negativos esperados de ARN del zika. La "Condición de paciente infectado con el zika" se considera positiva cuando los especímenes de suero y/u orina coincidente con un paciente dan positivo para ARN del zika, mediante la prueba Trioplex rRT-PCR. La "Condición de paciente infectado con el zika" se considera "indeterminada" cuando los especímenes de suero y orina coincidentes con un paciente dan negativo para ARN del zika, mediante la prueba Trioplex

rRT-PCR. De estos análisis de desempeño adicionales se excluyeron 23 pacientes (23/175) por considerarse "indeterminados" en la "Condición de paciente infectado con el zika".

Tabla 36: Desempeño de la prueba Trioplex rRT-PCR al analizar especímenes de sangre total para el ARN del virus del Zika, en comparación con la "Condición de paciente infectado con el zika" o los "Resultados esperados de ARN del zika"

Sangre total (WB, en inglés) - Categoría del espécimen	Trioplex rRT-PCR de los CDC		
	Cantidad examinada	Positivo para ARN del zika	Negativo para ARN del zika
Especímenes naturales obtenidos de pacientes sintomáticos en Puerto Rico, donde el virus del Zika es actualmente endémico	175	163	12
Especímenes naturales que se esperaba que fueran negativos para ARN del zika, obtenidos de pacientes asintomáticos en Puerto Rico, antes del brote actual de virus del Zika. A estos pacientes se les diagnosticó infección por el virus del dengue mediante la prueba NAAT para dengue, aprobada por la FDA	60	0	60
Especímenes naturales que se esperaba que fueran negativos para ARN del zika, obtenidos de pacientes asintomáticos en Puerto Rico, antes del brote actual de virus del Zika. A estos pacientes se les diagnosticó infección por el VCHIK mediante la prueba NAAT para VCHIK, diseñada y validada por los CDC	56	0	56
Coincidencia porcentual positiva (PPA, por sus siglas en inglés)	96.1 % (146/152) * 95 % CI (91.7 % - 98.2 %)		
Coincidencia porcentual negativa (NPA, por sus siglas en inglés)	100 % (116/116) 95 % CI (96.8 % - 100 %)		

*2/6 sujetos "falsos negativos" dieron positivo para ARN del zika mediante la prueba Trioplex de los CDC, solo en especímenes de suero coincidentes con un paciente; 3/6 sujetos "falsos negativos" dieron positivo para ARN del zika mediante la prueba Trioplex de los CDC, solo en especímenes de orina coincidentes con un paciente; 1/6 sujetos "falsos negativos" dieron positivo para ARN del zika mediante la prueba Trioplex de los CDC en ambos especímenes de suero y orina coincidentes con un paciente

F. Datos de especímenes secundarios:

Dos especímenes de orina recolectados de pacientes femeninas sintomáticas que pueden haberse infectado con el virus del Zika durante el brote de zika actual se enviaron al laboratorio de los CDC en Puerto Rico para su análisis. Estos especímenes fueron sometidos a prueba con la Trioplex RCP-TR usando el instrumento MagNA Pure LC 2.0 y la mezcla maestra SuperScript III. Los especímenes también fueron sometidos a prueba con un set de cebador y sonda de VZIK, con una prueba singleplex y una prueba RCP-TR NS3 para el zika desarrollada en el laboratorio. Cada espécimen fue analizado junto con un espécimen de suero coincidente de una paciente recolectada el mismo día en que se recolectó la orina. Los resultados se presentan en la Tabla 37.

Tabla 37: Datos del espécimen de orina - Formato Trioplex

Caso 1	DPO	Trioplex			Singleplex para VZIK	RCP-TR NS3 para zika
		VDEN	CHKV	VZIK		
Suero	3	Neg.	Neg.	32.51	33.21	34.6
Orina	3	Neg.	Neg.	29.34	28.56	31.56

Caso 2	DPO	Trioplex			Singleplex para VZIK	RCP-TR NS3 para zika
		VDEN	CHKV	VZIK		
Suero	2	Neg.	Neg.	29.23	28.56	31.05
Orina	2	Neg.	Neg.	27.45	27.12	29.6

DPO = Días posteriores a la aparición de los síntomas

Especímenes de líquido amniótico y LCR:

Cuatro especímenes de líquido amniótico y dos de LCR, todos con resultados de virus del Zika de especímenes de suero coincidentes, fueron evaluados con la RCP-TR. Los resultados del análisis de la RCP-TR de los especímenes de líquido amniótico y LCR coincidieron con los resultados del virus del Zika de especímenes de suero, en todos los casos.

G. Evaluación de especímenes artificiales:

La prueba se realizó en dos rondas. Para la primera ronda, se utilizaron 50 especímenes negativos de suero humano para preparar especímenes artificiales a fin de evaluar el desempeño de la Trioplex RCP-TR. Cada espécimen fue almacenado en partes alícuotas en 3 tubos. Una parte alícuota de cada espécimen no se adicionó (50 del grupo 15 de especímenes). Los alícuotas restantes (n=100) se distribuyeron en subgrupos y se enriquecieron con virus completo, como se describe en los grupos de especímenes 1-13 de la Tabla 38 a continuación. Para la segunda ronda de pruebas, se prepararon otros 25 especímenes de suero artificiales: 15 según se definió para el grupo 14 de especímenes, y 10 más negativos (grupo 15 de especímenes) para que se mezclaran con ellos.

El nivel de adición bajo para el Zika (Polinesia Francesa 2013) fue de aproximadamente 1.5-3 x LoD, el nivel moderado fue de aprox. 100 x LoD, y el nivel alto, de 1000 x LoD aprox. Para el dengue (serotipo 2, Puerto Rico 1998) y el chikunguña (Puerto Rico 2014), el nivel de adición bajo fue de 5-10 x LoD y el alto fue de 100-150 x LoD.

Las partes alícuotas fueron analizadas en condiciones de enmascaramiento y se transmitieron a un operador para su análisis mediante la Trioplex RCP-TR. La extracción se realizó usando el instrumento MagNA Pure LC 2.0 y la RCP-TR se llevó a cabo con la mezcla maestra SuperScript III. El resumen de los resultados de la prueba aparece en la Tabla 39. El acuerdo entre los resultados esperados y los resultados de la prueba para los tres sets de cebador y sonda fue del 100 %.

Tabla 38: Plan de adición para el estudio de especímenes artificiales - Formato Trioplex

N. ° de grupo de especímenes	N	Zika	dengue	chikunguña
1	5	Moderado	-	-
2	5	-	Bajo	-
3	5	-	-	Bajo
4	5	Alto	-	-
5	5	-	Alto	-
6	5	-	-	Alto
7	10	Moderado	Alto	-
8	10	Moderado	-	Alto
9	10	Alto	Bajo	-
10	10	-	Bajo	Alto
11	10	Alto	-	Bajo
12	10	-	Alto	Bajo
13	10	Alto	Alto	Alto
14	15	Bajo	Alto	Alto
15	60	-	-	-

Tabla 39: Resumen de resultados de especímenes artificiales - Formato Trioplex

	Positivo alto		Positivo moderado		Positivo bajo		Negativo	
	Analizados	Positivos	Analizados	Positivos	Analizados	Positivos	Analizados	Positivos
Zika	35	35	25	25	15	15	100	0
Dengue	50	50			25	25	100	0
Chikunguña	50	50			25	25	100	0

Notas sobre el procedimiento

Envíe comentarios, sugerencias y consultas sobre este procedimiento a LRN@cdc.gov

Referencias

- Lanciotti RS, Kosoy OL, Laven JJ, Panella AJ, Velez JO, Lambert AJ, Campbell GL. 2007. Chikungunya virus in US travelers returning from India, 2006. *Emerg Infect Dis.* May; 13(5):764-7
- Lanciotti RS, Kosoy OL, Laven JJ, Velez JO, Lambert AJ, Johnson AJ, Stanfield SM, Duffy MR. 2008. Genetic and serologic properties of Zika virus associated with an epidemic, Yap State, Micronesia, 2007. *Emerg Infect Dis.* Aug; 14(8):1232-1239

- CDC VDEN-1-4 Real Time RT-PCR Assay for detection and serotype identification of dengue virus. Instrucciones de empleo cat# KK0128. 2013.
<http://www.cdc.gov/dengue/clinicalLab/realTime.html>
- Lustig Y, Mendelson E, Paran N, Melamed S, Schwartz E. 2016. Detection of Zika virus RNA in whole blood of imported Zika virus disease cases up to 2 months after symptom onset, Israel, December 2015 to April 2016. Euro Surveill. 2016 Jun 30; 21(26).
- Rios, M., Daniel, S., Chancey, C., Hewlett, I.K., Stramer, S.L. West Nile Virus Adheres to Human Red Blood Cells in Whole Blood. Clin. Infect. Dis. 2007; 45; 181-186.
- <http://espanol.cdc.gov/zika/laboratories/lab-guidance.html>
- <http://espanol.cdc.gov/zika/laboratories/lab-safety.html>

Preparación del equipo

Instrumento de PCR en tiempo real QuantStudio™ Dx

El fabricante ofrece la instalación inicial del instrumento QuantStudio™ Dx (QSDx) que incluye la calibración para la detección de fluoróforos FAM, VIC y ROX. Para realizar la prueba Trioplex RT-PCR en tiempo real de los CDC, el usuario debe calibrar el instrumento para detectar el fluoróforo CAL Fluor Red 610 usando el Kit II de calibración espectral de los sistemas ThermoFisher Fast de PCR en tiempo real (cat. # 4362201, adquiridos por separado).

Calibración del instrumento

El QSDx incluye dos modos de operación: Modo de uso de diagnóstico *in vitro* (IVD) y modo solo uso para investigación (RUO). De acuerdo con la EUA, la prueba Trioplex rRT-PCR de los CDC se considera una prueba IVD y no RUO, sin embargo, la prueba solo se puede realizar en el modo RUO del instrumento QSDx.

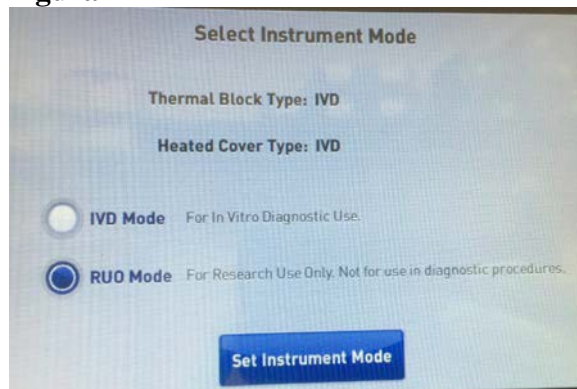
NOTA: El instrumento QSDx se deberá verificar y/o calibrar cada 6 meses. Además, las calibraciones de fondo deben realizarse mensualmente. Consulte las instrucciones de uso del QSDx para ver los detalles.

1. Encienda el instrumento y la computadora asociada. Ingrese, si es necesario.
2. Verifique el estado de la calibración actual de ROI, fondo, uniformidad, colorante y normalización.
3. Realice las calibraciones si se solicita.
4. Para añadir la detección CAL Fluor Red 610, retire del congelador el Kit II de calibración espectral de los sistemas Fast de PCR en tiempo real, extraiga la placa de calibración del kit y deje que la placa alcance temperatura ambiente, según las instrucciones del fabricante. Vuelva a poner en el congelador las placas de calibración restantes.
5. Abra la bolsa sellada y centrifugue la placa durante un corto tiempo.
6. Consulte la sección Calibración del colorante en el manual del usuario del QSDx y siga el protocolo de calibración del fabricante.

Ciclo de RCP

1. Encienda el instrumento y la computadora asociada. Ingrese, si es necesario.
2. En el panel de la pantalla táctil del instrumento, selección **RUO Mode** (modo RUO) y selección el botón **Set Instrument Mode** (Configurar modo del instrumento (**Figura 1**).

Figura 1



3. Inicie el software de desarrollo de la prueba en QuantStudio™ en la computadora.
4. Confirme que el instrumento se está comunicando correctamente con la computadora seleccionando el ícono de la **consola del instrumento** en el menú **Run** (Ciclo) (**Figura 2**). Si el instrumento se está comunicando correctamente, el ícono del instrumento QSDx en **My Instruments** (Mis instrumentos) aparecerá con una marca de verificación verde (**Figura 3**). Cierre la pestaña una vez que se haya confirmado la comunicación.

Figura 2

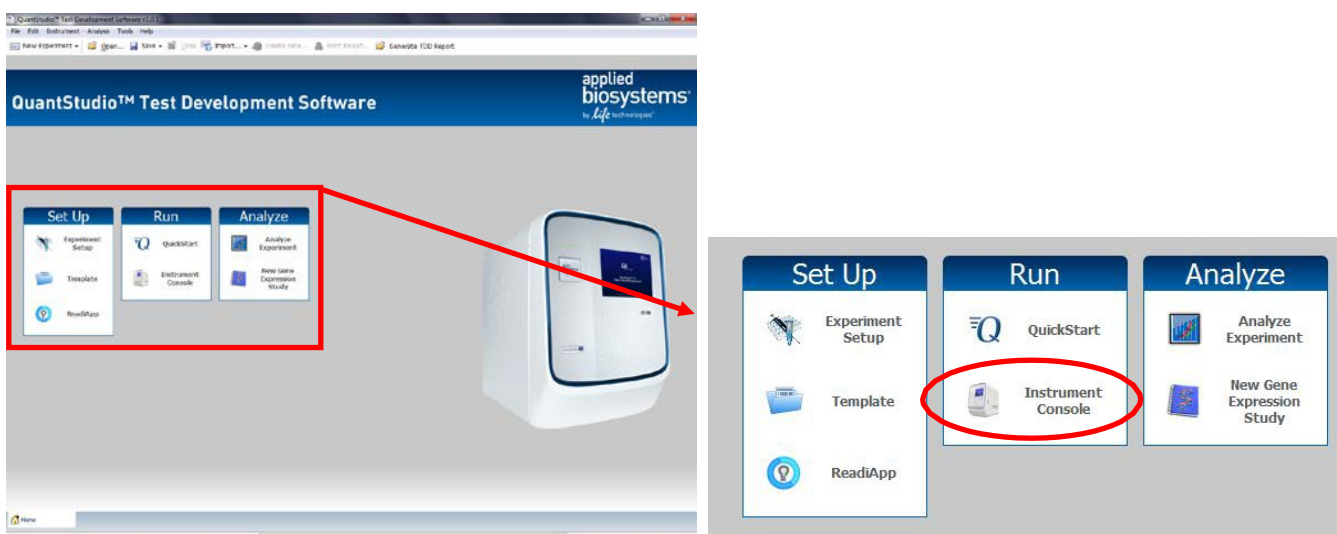
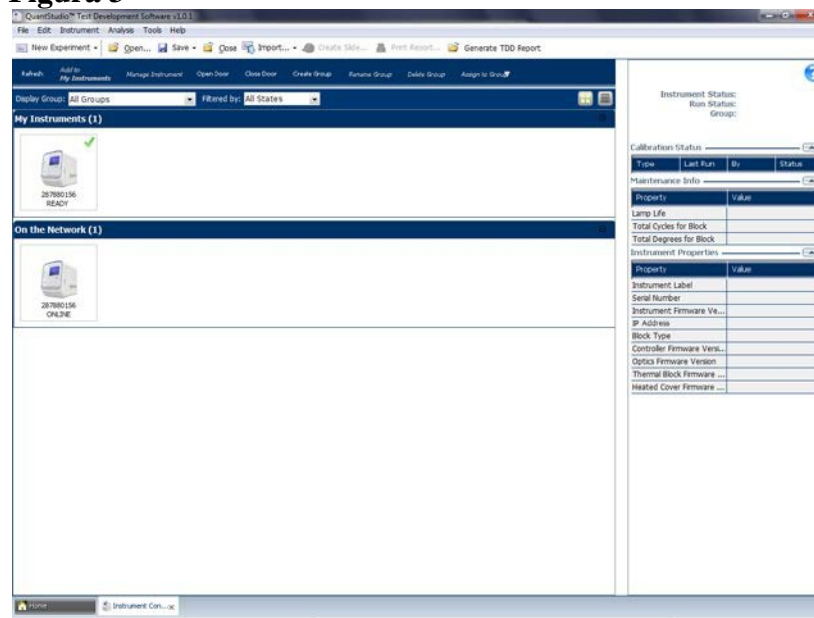


Figura 3



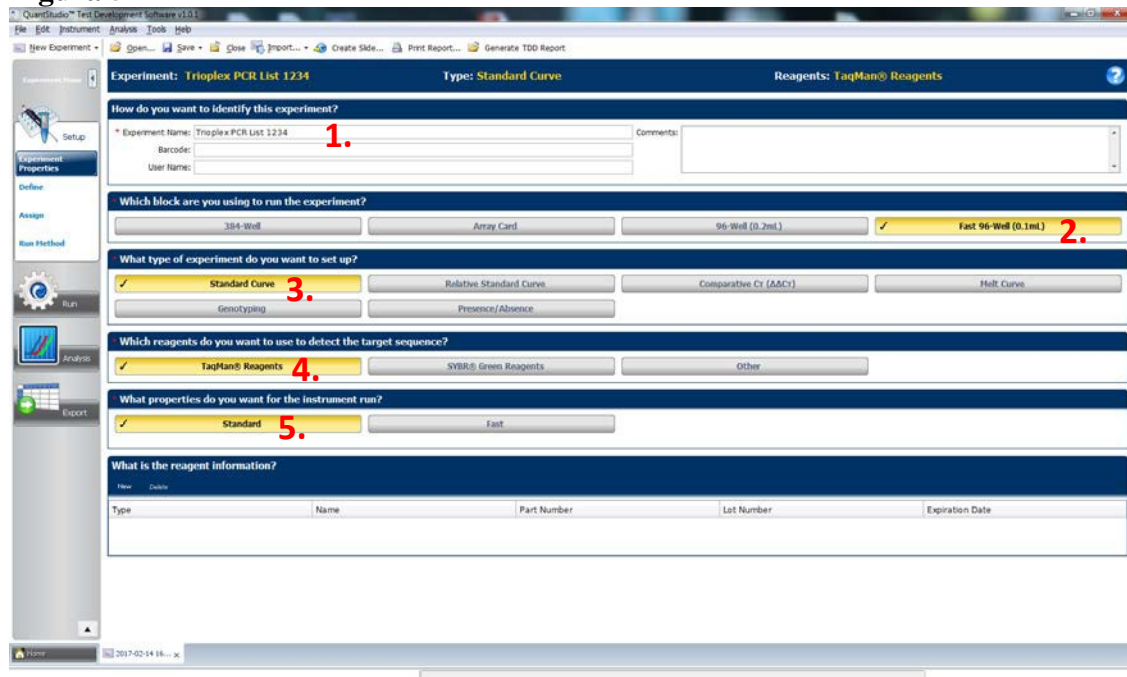
5. Para comenzar un nuevo ciclo de PCR, seleccione el ícono de **configurar experimento** en el menú **Set Up** (Configurar) (**Figura 4**).

Figura 4



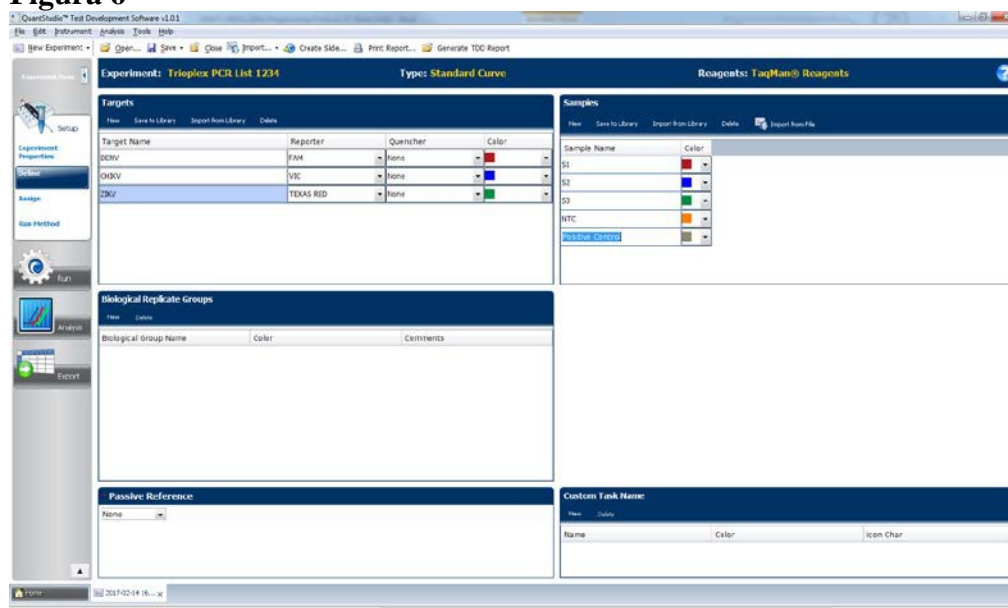
6. En la sección **Experiment Properties** (Propiedades del experimento), seleccione las siguientes opciones (**Figura 5**):
 - a) Nombre el experimento con un nombre de archivo que contenga la información apropiada (**1**)
 - b) Seleccione el bloque de 96 pocillos (0.1 mL) Fast (**2**)
 - c) Seleccione el tipo de curva estándar (**3**)
 - d) Seleccione los reactivos TaqMan® (**4**)
 - e) Seleccione el ciclo del instrumento estándar (**5**)

Figura 5



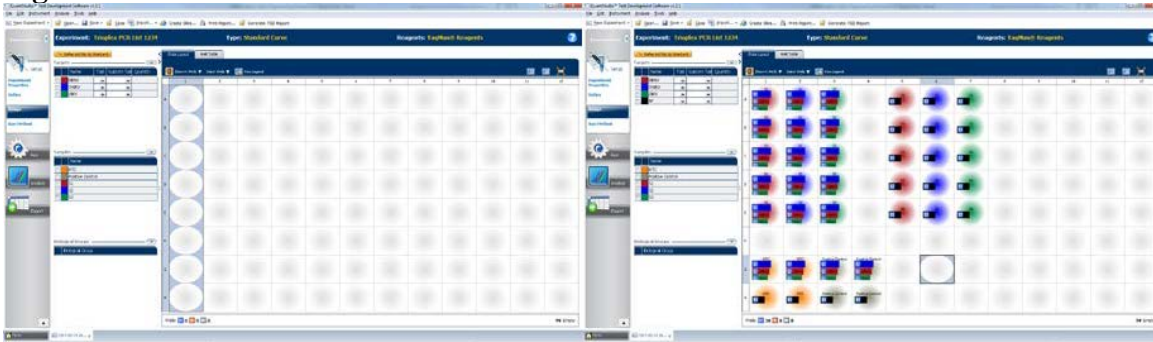
7. En la sección **Define** (Definir), añade los objetivos correspondientes a cada virus (**Figura 6**).
 - a) Seleccione **New (Nuevo)** y defina cada objetivo con el correspondiente **nombre objetivo** (VDEN, VCHIK, VZIK), **activador** (FAM, VIC, Texas Red, según corresponda), **inhibidor** (ninguno), y color de elección (predeterminado). Se pueden guardar los objetivos en la biblioteca para usar en el futuro.
 - b) Las muestras se pueden etiquetar individualmente en la sección **Sample** (Muestra) seleccionando **New (Nueva)**.
 - c) En la sección **Passive Reference** (Referencia pasiva), seleccione **None** (Ninguna)

Figura 6



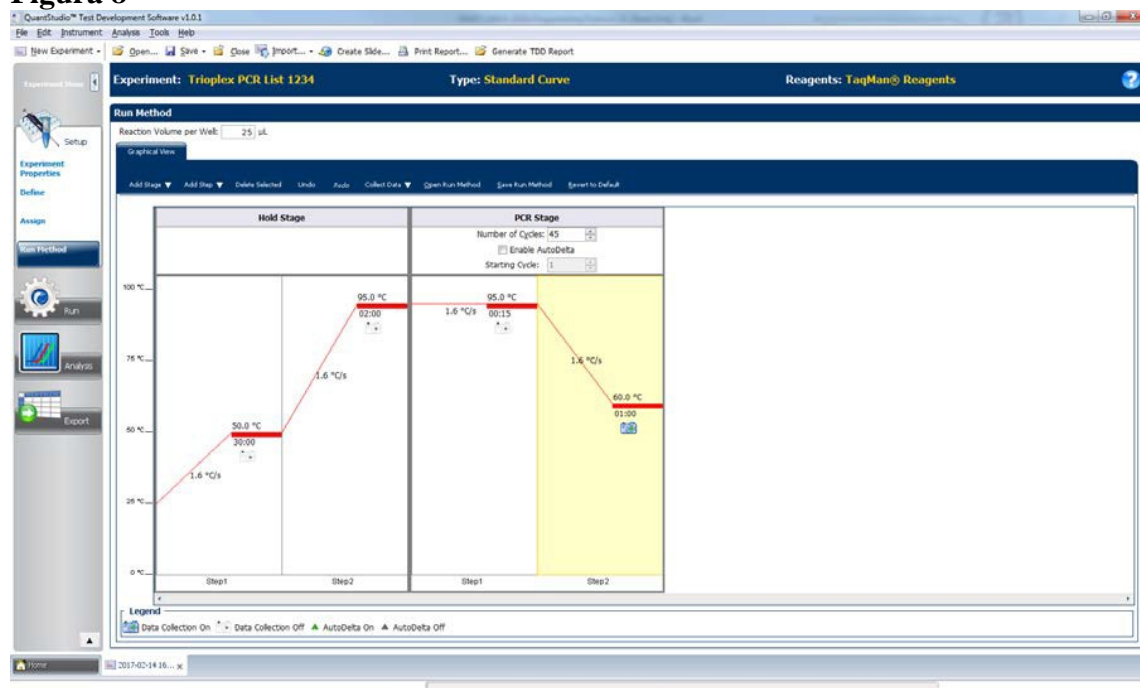
8. En la sección **Assign** (Asignar), indique en qué lugar de la placa de PCR se ubican las muestras (**Figura 7**).
 - a) Resalte los pocillos en la sección **Plate Layout** (Distribución de la placa).
 - b) En el menú **Targets** (Objetivos), marque todos los objetivos que se detectarán en los pocillos de placa de PCR resaltados
 - c) Se pueden añadir etiquetas de muestras a los pocillos de PCR resaltados marcando la etiqueta correspondiente en el menú **Samples** (Muestras)

Figura 7



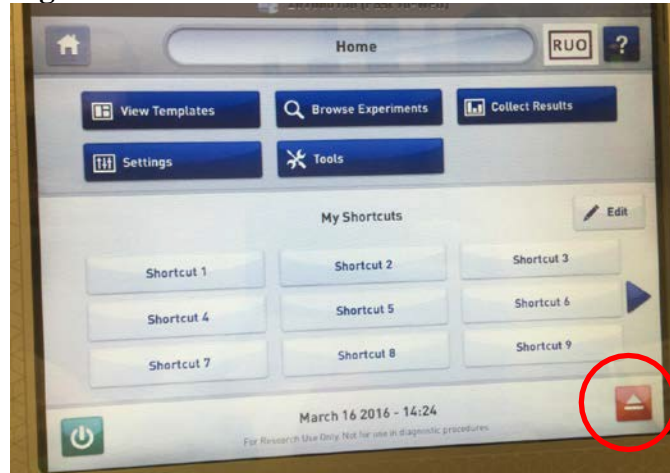
9. En la sección **Run Method** (Método del ciclo), ingrese los parámetros del termociclador según la mezcla maestra de PCR que se utilizará (Invitrogen SuperScript III o Quanta qScript) (**Figura 8**):
 - a) Configure el **volumen de reacción por pocillo** en 25 μL
 - b) Ingrese el paso 1 de la etapa de espera: 50.0° C para 30:00 minutos
 - c) Ingrese el paso 2 de la etapa de espera: 95.0° C para 2:00 minutos (SuperScript III) o 5:00 minutos (qScript)
 - d) Ingrese el paso 1 de la etapa de PCR: 95.0° C para 0:15 minutos
 - e) Ingrese el paso 2 de la etapa de PCR: 60.0° C para 1:00 minuto (recolecte los datos de fluorescencia en este paso)
 - f) Cambie la cantidad de ciclos a 45

Figura 8



10. Cargue la placa de PCR sellada con la cinta óptica para sellar adecuada en el instrumento seleccionando el botón de Open/Close (Abrir/cerrar) en la pantalla táctil del instrumento (**Figura 9**).

Figura 9



11. Se abrirá el brazo de la placa al lado del instrumento. Confirme que el brazo de la placa contiene la pieza de la placa de 96 pocillos FAST y que el pocillo A1 de la placa de PCR está alineado con el símbolo A1 en el extremo izquierdo superior de la pieza de la placa (**Figura 10**). Cierre el brazo de la placa.

Figura 10



12. Para comenzar el ciclo, haga clic en el menú **Run** (Ciclo) a la izquierda y haga clic en el botón **Start Run** (Comenzar ciclo). Se abrirá una ventana que le preguntará si quiere guardar el archivo. Asigne el nombre de archivo adecuado y se guardarán los datos del ciclo con una extensión de archivo .eds en una carpeta de datos predesignada. Si el ciclo no comienza en este momento, haga clic en **Start Run** (Comenzar ciclo) otra vez y el ciclo comenzará. La ventana de la hora aparecerá en la pantalla táctil del instrumento una vez que haya comenzado el protocolo (**Figura 11**).

Figura 11



Análisis de datos

Al finalizar el ciclo, guarde y analice los datos según las instrucciones del software y las guías de interpretación de datos provistas en el manual. Las guías para el análisis de datos del instrumento AB 7500 Fast Dx se aplican al instrumento QuantStudio™ Dx. Los análisis deben realizarse por separado para cada objetivo, usando una configuración manual del umbral. Los umbrales se deben ajustar para que se ubiquen al inicio de la fase exponencial de las curvas de amplificación y por encima de la señal de fondo. El procedimiento seleccionado para la configuración del umbral debe utilizarse de manera consistente en todos los ciclos.

Versión accesible, disponible en idioma inglés:

<https://www.cdc.gov/zika/pdfs/trioplex-real-time-rt-pcr-assay-instructions-for-use.pdf>